

转Xa21基因水稻中T-DNA整合的遗传定位

朱雪峰1, 2, 陈学伟1, 李晓兵1, 钱前2, 黄大年2, 朱立煌1, 翟文学1

1.中国科学院遗传与发育生物学研究所;北京 100101; 2.中国水稻研究所;杭州 310006

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 利用转抗白叶枯病基因Xa21的水稻材料,通过TAIL-PCR方法扩增T-DNA整合的侧翼序列.从中筛选属于水稻基因组DNA的T-DNA整合的侧翼序列作为探针,将外源基因整合位点定位到窄叶青/京系17DH群体构建的水稻分子连锁图谱上.共获得属于水稻基因组DNA的T-DNA侧翼序列22个,其中的19个序列在定位群体的两个亲本之间显示RFLP多态性,分别定位在水稻基因组的第3,4,5,7,9,10,11和12染色体上.带有转基因Xa21的T-DNA整合的定位为研究外源基因在不同染色体位点的位置效应和稳定遗传打下基础.

关键词 [转基因水稻](#) [T-DNA](#) [Xa21](#) [整合位点](#) [遗传定位](#)

分类号

Abstract

Key words

DOI:

通讯作者

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(224KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“转基因水稻”的相关文章](#)
- ▶ [本文作者相关文章](#)

- [朱雪峰](#)
- [陈学伟](#)
- [李晓兵](#)
- [钱前](#)
- [黄大年](#)
- [朱立煌](#)
- [翟文学](#)