



您当前位置: 首页 > 科学研究 > 论文专利 > 计算生物信息学研究所 > 正文

专利

发布时间: 2021-05-16 点击量: 590 次

- [1]杨利英; 刘志敏; 李菲; 袁细国; 张军英; 黎成; 殷黎洋, 基因微阵列数据的分类器模型生成方法, 中国, ZL201410025412.0, 申请公布日: 2014.05.14, 授权公告日: 2017.05.03。
- [2]杨利英; 黎成; 殷黎洋; 张军英; 袁细国, 一种结合随机森林和Relief-F的全基因组SNP位点分析方法, 中国, ZL201410765415.8, 申请公布日: 2015.03.25, 授权公告日: 2017.04.05。
- [3]杨利英; 曹阳; 袁细国; 张军英, 发现癌症相关基因的方法及相关系统、药物制备方法, 中国, ZL201610019087.6, 申请公布日: 2016.06.22, 授权公告日: 2018.09.07。
- [4]袁细国; 李杰; 张军英; 杨利英; 高美虹, 一种多样本拷贝数一致性变异区域的统计检验方法, 中国, ZL201611040980.3, 申请公布日: 2017.05.17, 授权公告日: 2019.03.26。
- [5]李彦彦; 袁细国; 张军英; 杨利英; 白俊, 一种基于新一代测序的拷贝数变异检测方法, 中国, ZL201610114354.8, 申请公布日: 2016.07.13, 授权公告日: 2019.03.26。
- [6]高美虹; 袁细国; 张军英; 杨利英; 李杰; 白俊, 一种基于状态转移模型的新一代测序拷贝数变异仿真方法, 中国, ZL201611040978.6, 申请公布日: 2017.05.17, 授权公告日: 2019.05.07。
- [7]高琳; 王炳波; 郭杏莉; 王琦; 邓岳, 基于节点支配能力相似性的功能模块检测方法, 中国, ZL201410267391.3, 申请公布日: 2014.09.03, 授权公告日: 2017.04.19。
- [8]鱼亮; 许凤丹, 基于基因突变与基因表达的药物重定位方法, 中国, ZL201710429774.X, 申请公布日: 2017.10.24, 授权公告日: 2019.10.21。
- [9]鱼亮; 夏明飞, 基于药物相似性网络数据的药物组合预测方法, 中国, CN110246550A, 申请公布日: 2019.09.17。
- [10]鱼亮; 周丹丹, 基于多维网络的癌症细胞系治疗药物预测方法, 中国, CN110232978A, 申请公布日: 2019.09.13。
- [11]鱼亮; 赵晋, 基于miRNA数据和组织特异性网络的药物重定位方法, 中国, CN107194203A, 申请公布日: 2017.09.22。
- [12]于强; 张晓, 一种DNA数据集植入模体搜索方法及其装置与存储介质, 中国, CN110059228A, 申请公布日: 2019.07.26。
- [13]于强; 张晓, 一种二项树模型的模体搜索方法、装置、设备与存储介质, 中国, CN110070908A, 申请公布日: 2019.07.30。
- [14]张军英; 王东利; 袁细国, 一种基于多组学数据的癌症分型信息处理方法, 中国, CN110379460A, 申请公布日: 2019.10.25。
- [15]张军英; 康越; 习佳宁; 杨利英, 基于多通道随机森林的小样本临床数据分类方法及系统, 中国, CN110400610A, 申请公布日: 2019.11.01。
- [16]张军英; 朱皓晨, 基于SNP致病因素与疾病关联关系的疾病诊断信息处理方法, 中国, CN110428897A, 申请公布日: 2019.11.08。
- [17]袁细国; 谢文路; 李杰; 习佳宁; 杨利英; 张军英; 许向彦, 一种基于新一代测序数据的插入变异检测方法及其系统, 中国, CN110299185A, 申请公布日: 2019.10.01。
- [18]袁细国; 马超; 杨利英; 习佳宁; 张军英, 一种基于神经网络的核苷酸单位点变异检测方法, 中国, CN110211632A, 申请公布日: 2019.09.06。
- [19]袁细国; 李喆; 张军英; 杨利英; 习佳宁, 基于测序数据的肿瘤纯度及绝对拷贝数预测方法及系统, 中国, CN110289047A, 申请公布日: 2019.09.27。
- [20]袁细国; 王双; 刘畅; 张军英, 一种基于高通量测序数据的微生物成分及浓度检测方法, 中国, CN110517726A, 申请公布日: 2019.11.29。

下一篇: 论文

