

农业生物技术科学

北沙参SRAP分子标记体系的建立与优化

齐树杰¹, 沈 镒¹, 李 颖¹, 张钦德¹, 李庆典²

(1青岛农业大学, 山东青岛 266109; 2中国农业科学院, 北京 100850; 3山东中医药高等专科学校, 山东烟台 264000)

摘要:

为北沙参的遗传多样性分析提供一种科学的途径。采用SRAP标记技术, 以北沙参基因组DNA为模板, 优化了SRAP反应体系的主要参数。建立了稳定可靠的SRAP-PCR反应体系; 20μL反应体系中, DNA的量为80ng、Mg²⁺ 2.5mmol/L、dNTPs 0.25mmol/L、TaqDNA聚合酶为1U、正反向Primer浓度均为0.1μmol/L。该体系适合北沙参遗传多样性分析、遗传图谱构建等研究。

关键词: 北沙参 SRAP 分子标记 体系优化

1, 1, 1, 1,

Abstract:

To develop a scientific method for *Glehnia littoralis* genetic diversity analysis. *Glehnia littoralis* DNA was used to optimize SRAP system's main parameters. A stability and reliable SRAP-PCR system was established. In the 20μL system, DNA 80 ng, Mg²⁺ 2.5 mmol/L, dNTP 0.25mmol/L, Taq 1U, Upstream and Downstream primers both for 0.25μmol/L. The reaction system was suitable to study *Glehnia littoralis* genetic diversity analysis and gene mapping.

Keywords: *Glehnia littoralis* SRAP molecular marker system optimization

收稿日期 2009-08-13 修回日期 2009-09-03 网络版发布日期 2009-12-20

DOI:

基金项目:

通讯作者: 李庆典

作者简介:

作者Email: qdli@qau.edu.cn

参考文献:

本刊中的类似文章

1. 王华强, 李 颖, 张钦德, 齐树杰, 李庆典. 北沙参根茎不定芽诱导及生根的研究[J]. 中国农学通报, 2009, 25(18): 66-70
2. 王晓洁, 辛 华 . 北沙参栽培后期主要营养成分变化的动态研究[J]. 中国农学通报, 2009, 25(12): 130-132

扩展功能

本文信息

- Supporting info
- PDF(1709KB)
- [HTML全文]
- 参考文献[PDF]
- 参考文献

服务与反馈

- 把本文推荐给朋友
- 加入我的书架
- 加入引用管理器
- 引用本文
- Email Alert
- 文章反馈
- 浏览反馈信息

本文关键词相关文章

- 北沙参
- SRAP
- 分子标记
- 体系优化

本文作者相关文章

- 齐树杰
- 沈 镒
- 李颖
- 张钦德
- 李庆典

PubMed

- Article by Zi,S.J
- Article by Chen,d
- Article by Li,y
- Article by Zhang,Q.D
- Article by Li,Q.T

3. 董 芳, 刘汉柱, 辛 华.不同生长年份北沙参中香豆素含量的比较研究[J]. 中国农学通报, 2009,25(19): 295-297
 4. 许祖刚 王月福 赵长星.施钾量对北沙参生长、产量和品质的影响[J]. 中国农学通报, 2009,25(21): 217-219
-