



首页 招生在线 就业在线 人才招聘 校友 网络服务 English Version 教育基金会

当前位置: 首页 > 新闻中心

我校群体微生物研究中心在进化基因组学领域发表高水平论文

撰写时间: 2018-01-25 来源: 华南农业大学

近日, 我校群体微生物研究中心周筱帆教授在国际著名期刊Molecular Biology and Evolution (2016年五年影响因子14.558) 上发表题为“Evaluating Fast Maximum Likelihood-Based Phylogenetic Programs Using Empirical Phylogenomic Data Sets”的研究论文(文章链接: <https://academic.oup.com/mbe/article/35/2/486/4644721>)。

周筱帆教授于2016年11月通过我校高层次人才引进加入群体微生物研究中心工作, 主要开展基因组学和生物信息学等方面的研究工作。本文由周筱帆教授和美国范德堡大学Antonis Rokas教授等合作完成, 周筱帆教授为该论文第一作者, 我校群体微生物研究中心为该论文的第一作者单位。

对基因和物种间进化关系的正确认识构成了进化和比较基因组学研究的重要基础。而面对海量的基因组数据, 分析工具和策略的选择对于结果的准确性以及研究的效率都具有至关重要的影响。这项研究利用大量的基因组和转录组数据, 对RAxML, IQ-TREE, PhyML, 和FastTree等四种进化分析方面最常用的软件工具进行了系统深入的比较, 详细分析了它们在单基因分析, 以及基于“串联法”或“溯祖法”的系统发育基因组分析中的表现和各白的优缺点。研究结果为今后的系统发育基因组学研究提供了重要参考。

文章发表后迅速获得广泛关注, Altmetric得分达79, 位于所有同期发表论文的前3%, 并且获得国际权威学术评议机构Faculty of 1000的推荐, 表明该文章具有较高的社会影响力和学术价值。(文/图: 群体微生物研究中心 叶忱)

(责任编辑: 李敏)

0
【关闭窗口】

SCAU Copyright © 2015华南农业大学. All rights reserved.

地址: 广州市天河区五山华南农业大学

粤ICP备05008874号 备案编号: 4401060500010