

研究简报

cDNA-AFLP法筛选红树植物盐应答基因

陈银华, 韩淑梅, 沙爱华, 朱红林, 范吉星, 谢俊, 符秀梅, 李小靖

海南大学教育部热带生物资源重点实验室

收稿日期 2007-10-10 修回日期 网络版发布日期 2008-12-10 接受日期 2008-12-26

摘要

【目的】分析红树植物盐胁迫下基因表达谱, 分离识别耐盐相关基因。**【方法】**分别对红树植物-秋茄进行海水和淡水处理。分时提取总RNA进行等量混合, 获得两种不同处理的样品池。采用cDNA-AFLP技术进行表达差异分析。**【结果】**256对引物组合共筛选了约15 000个cDNA片段, 获得差异片段61个。差异基因表达模式分为2类, 即海水处理诱导上升和下调表达, 其中上升表达的基因片段为36个, 下调表达的基因片段为25个; 其中38个可视为已知基因。按照其功能分类可分为8大类: 基础代谢、跨膜蛋白、信号转导、蛋白质代谢、转录因子、细胞骨架、抗病蛋白、假想蛋白, 而其中又以基础代谢相关基因所占比重最大。**【结论】**构建了红树植物-秋茄在盐胁迫下的基因表达谱, 从基因组水平上识别了一批受盐胁迫诱导或抑制表达、与耐盐相关的基因, 这些新基因可用于耐盐的分子机理研究。

关键词 [红树](#) [耐盐性](#) [基因分离](#) [cDNA-AFLP](#)

分类号

DOI:

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(396KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“红树”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [陈银华, 韩淑梅, 沙爱华, 朱红林, 范吉星, 谢俊, 符秀梅, 李小靖](#)

通讯作者:

作者个人主页:

陈银华; 韩淑梅; 沙爱华; 朱红林; 范吉星; 谢俊; 符秀梅; 李小靖