

【作者】	黎晓英, 魏麟, 伍贤进, 饶力群
【单位】	湖南农业大学生物科学技术学院, 湖南长沙
【卷号】	37
【发表年份】	2009
【发表刊期】	28
【发表页码】	13526-13528
【关键字】	蕺菜; ISSR PCR; 体系优化
【摘要】	<p>[目的] 针对蕺菜ISSR的反应特点, 建立稳定可靠的ISSR分子指纹标记反应体系, 为进一步研究蕺菜的居群遗传多样性奠定基础。[方法] 通过筛选引物并设定影响蕺菜ISSR反应各因素浓度, 检测ISSR不同反应体系的扩增效果; 通过分析非特异性条带的产生原因并进行条件优化, 建立蕺菜ISSR稳定可靠的反应体系。[结果] 建立了可用于蕺菜ISSR PCR分析的最适宜反应体系。Taq 酶质量、退火温度、Mg<sup>2+</sup> 浓度、dNTP浓度均对ISSR反应结果具有较大影响。[结论] 建立的蕺菜ISSR反应体系具有省时、经济、简便、扩增条带清晰而稳定以及重复性好等特点, 可以较好地应用于蕺菜的居群鉴别及居群分子生态的研究。</p>
【附件】	 PDF下载 <a href="#">PDF阅读器下载</a>

关闭