

植物生理科学

## 化感水稻PI312777响应低磷胁迫的差异蛋白质组学分析

陆锦池<sup>1</sup>,王海斌<sup>2</sup>,陈荣山<sup>3</sup>,刘长辉<sup>3</sup>,郭徐魁<sup>3</sup>,林志华<sup>3</sup>,何海斌<sup>3</sup>,林文雄<sup>4</sup>

1. 福建农林大学
2. 福建农林大学农业生态研究所/生命科学学院
- 3.
4. 福建农林大学生命科学学院

收稿日期 2009-2-23 修回日期 2009-4-21 网络版发布日期 2009-7-20 接受日期 2009-7-6

**摘要** 为研究水稻响应低磷的分子机理,本研究以化感水稻PI312777为材料,应用差异蛋白质组学方法分析化感水稻PI312777根部响应低磷蛋白质组变化趋势,共鉴定11个差异蛋白质点,共分为3类:第1类,与信号转导相关蛋白质—细胞色素B5、受体激酶;第2类,与生长相关蛋白质—推定叶绿体SPR接受子、CDC2蛋白激酶、生长素转运蛋白、脯氨酸富集蛋白家族;第3类,与化感物质代谢相关蛋白质—推定水杨酸羧基转甲基酶、推定4-香豆酸辅酶A连接酶、推定细胞色素P450、苯丙氨酸解氨酶、角鲨烯单氧化酶。其中除细胞色素B5和角鲨烯单氧化酶表达丰度下调,其余蛋白质表达丰度均上调。

**关键词** [水稻](#) [化感](#) [低磷胁迫](#) [蛋白质组学](#)**分类号****DOI:****通讯作者:**林文雄 [wenxiong181@163.com](mailto:wenxiong181@163.com)**作者个人主页:** [陆锦池<sup>1</sup>](#),[王海斌<sup>2</sup>](#),[陈荣山<sup>3</sup>](#),[刘长辉<sup>3</sup>](#),[郭徐魁<sup>3</sup>](#),[林志华<sup>3</sup>](#),[何海斌<sup>3</sup>](#),[林文雄<sup>4</sup>](#)

## 扩展功能

## 本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(859KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献\[PDF\]](#)
- ▶ [参考文献](#)

## 服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)

## 相关信息

- ▶ [本刊中 包含“水稻”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

- [陆锦池](#)
- [王海斌](#)
- [陈荣山](#)
- [刘长辉](#)
- [郭徐魁](#)
- [林志华](#)
- [何海斌](#)
- [林文雄](#)