

【作者】	缪旻珉, 程皓, 马晨澄
【单位】	扬州大学园艺与植物保护学院, 江苏扬州
【卷号】	36
【发表年份】	2008
【发表刊期】	29
【发表页码】	12613-12615
【关键字】	水苏糖合成酶; 黄瓜; 可变剪接
【摘要】	<p>[目的] 克隆黄瓜 (<i>Cucumis sativus</i> L.) 水苏糖合成酶 (STS) 基因全长cDNA, 为深入研究黄瓜同化物运输机理奠定基础。[方法] 以黄瓜品种津研4号成熟叶片为材料, 采用RT-PCR结合RACE技术, 克隆得到3个黄瓜水苏糖合成酶全长cDNA。[结果] 3序列 (GenBank登录号分别为: EU096496、EU096497、EU096498) 长度分别为3 016、3 081、3 153 bp, 编码相同的846个氨基酸。序列分析结果表明, 黄瓜STS与其他高等植物的STS具有较高的同源性。[结论] 3个cDNA序列的差异主要表现在3'非翻译区长度不等, 推测可能由同一基因经3'非翻译区可变剪接生成。</p>
【附件】	 PDF下载 PDF阅读器下载

关闭