



栏目导航

- 教研人员
- 兼职教授
- 实验人员
- 行政人员
- 博士后
- 访问学者
- 离退人员
- 物业人员
- 合同制人员
- 学生

您的位置： [首页](#) > [师资队伍](#) >

欢迎访问 [杨云锋](#) 老师个人主页

姓 名： 杨云锋
 所在单位： 环境生物学研究所
 职 称： 教授/研究员
 邮寄地址： 清华大学环境科学与工程系
 办公电话： 010- 62784692
 电子邮件： yangyf@tsinghua.edu.cn
 办公地点： 环境节能楼307室



个人简历

学 历：

1991. 9 – 1996. 7 中国科大生物系，学士
 2000. 1 – 2002. 5 美国City University of New York计算机专业，硕
 1996. 8 – 2003. 1 美国Albert Einstein College of Medicine生物专

工作经历：

2003. 2 – 2006. 3 美国橡树岭国家实验室环境科学部，博士后
 2006. 3 – 2010. 9 美国橡树岭国家实验室生命科学部，研究员 (staff)
 2006. 8 – 2009. 12 美国DENISON 大学，兼职教授 (part-time profes)
 2010. 9 – 今 清华大学环境科学与工程系，教授

教 学

本科课程Course BIOL201: Cell and Molecular Biology (2006)

本科课程Course BIOL325: Genetics (2007-2009)

研究方向

1. 与全球气候变化相关的环境微生物群落结构、功能的解析和调控
2. 特定环境微生物的检测技术
3. 生物能源、污染场地生物修复的微生物资源开发和基因工程改造
4. 生物基因网络的构建和解析

科研项目

近五年主持或者参与主持的科研项目：

1. 生物能源梭菌的遗传工程开发 (美国橡树岭国家实验室Seed money项
2. Shewanella Federation 还原金属分子机制子课题 (美国能源部GTL项
3. 对重金属污染的地下水中分离和筛选功能微生物项目，分离微生物子课
– 2010)
4. 系统生物学方法理解植物抗旱性机理项目，功能基因组学分析和生物
实验室LDRD项目，2007 – 2010)
5. 合成气-醇类转换细菌的遗传工程开发 (美国橡树岭国家实验室LDRD
6. 生物能源中心遗传工程子课题 (美国能源部GTL项目，2007 – 2012)
7. 食品生产过程中检测沙门氏菌的新型技术 (Mars, Inc. 资助项目和美
项目2009 – 2010)
8. 杨树-微生物相互作用项目，分离微生物和遗传工程开发子课题 (美
9. 土壤微生物分布、转移过程中细胞胶结的定量分析子课题 (美国能源
2011)

出版著作

Y. Yang (2009) Use of Genomic DNA as Reference in DNA Microarra

发表文章

- C. Isaac, Y. Yang & U. T. Meier (1998) Nopp140 functions as a m eolus and coiled bodies. *Journal of Cell Biology* 142, 319-329
- Y. Yang, C. Isaac, C. Wang, F. Dragon, V. Pogacic & U. T. Meier of mammalian box H/ACA and box C/D small nucleolar ribonucleopri raction with the common factor Nopp140. *Molecular Biology of th*
- Y. Yang and U. T. Meier (2003) Genetic interaction between a ch onucleoprotein particles and cytosolic serine hydroxymethyltran: *Chemistry* 278(26), 23553-23560
- S. D. Brown, M. Martin, S. Deshpande, S. Seal, K. Huang, E. Alm iu, A. Arkin, K. Chourey, J. Zhou and D. K. Thompson (2006) Cel neidensis to Strontium Stress. *Applied and Environmental Microb*
- F. Luo, J. Zhong, Y. Yang and J. Zhou (2006), Application of ray data for discovering functional gene modules. *Physical Revie*
- F. Luo, J. Zhong, Y. Yang, R. Scheuermann and J. Zhou (2006), A eory to Biological Networks *Physics Letter A* 357(6): 420-423
- M. Zhu, Q. Wu, Y. Yang and J. Zhou (2006), A New Approach to Id g Random Matrix Theory (Annual IEEE Symposium on Computational and Computational Biology 1:117-123)
- F. Luo, Y. Yang, J. Zhong, H. Gao, L. Khan, D. K. Thompson and . ene Co-expression Networks and Predicting Functions of Unknown i (co-first author; *BMC Bioinformatics* 8:299)
- F. Luo, Y. Yang, C. Chen, R. Chang, J. Zhou and R. Scheuermann f Protein Interaction Networks (*Bioinformatics* 23(2):207-214)
- Y. Yang*, D. P. Harris, F. Luo, L. Wu, A. B. Parsons, A. V. Pal iological and Transcriptomic Analyses to Characterize the Funct n *Shewanella oneidensis* (*BMC Genomics* 9(S1):S11)
- Y. Yang*, M. Zhu, L. Wu and J. Zhou (2008), Assessment of Data l ity of Microarray Experiments Using Genomic DNA Reference (*BMC*
- Y. Yang*, D. P. Harris, F. Luo, W. Xiong, M. Joachimiak, L. Wu, g, A. V. Palumbo, A. P. Arkin and J. Zhou* (2009), Snapshot of eidensis by Gene Network Reconstruction (*BMC Genomics* 10:131)
- X. Zhang, Z. Zhang, Z. Zhu, N. Sathitsuksanoh, Y. Yang and P. Zi al family 48 cellobiohydrolase from *Clostridium phytofermentans* n, characterization, and processivity (*Appl. Microbiol. Biotech*
- H. Gao, S. Barua, M. Romine, S. Reed, D. Cullley, D. Kennedy, Y. on, K. Nealson and J. Zhou (2010), Impacts of *Shewanella oneidei* n aerobic and anaerobic respiration (*Microbial Biotechnology* 3(
- Y. Yang*, L. A. McCue, A. B. Parsons, C. X. Guan, S. Feng and J ic acid cycle in *Shewanella oneidensis* is independent of Fur an gy 10: 264)
- C. L. Hemme, Y. Yang, J. Zhou, et al. (2010), Genome Announcemei stridia Genomes Related to Biomass Conversion and Biofuels Prodi y, accepted)