

[加入收藏](#) [设为首页](#)

-
- [首 页](#)
- [实验室概况](#)
 - [实验室简介](#)
 - [研究方向](#)
 - [组织机构](#)
 - [现任领导](#)
 - [学术委员会](#)
- [研究队伍](#)
 - [情况简介](#)
 - [研究人员](#)
- [科学研究](#)
 - [科研项目](#)
 - [发表论文](#)
 - [授权专利](#)
 - [获奖成果](#)
- [人才培养](#)
 - [硕士生培养](#)
 - [博士生培养](#)
- [仪器平台](#)
 - [支撑平台](#)
 - [大型仪器设备清单](#)
 - [仪器使用管理规定](#)
- [开放交流](#)
 - [合作交流](#)
 - [开放课题](#)
- [规章制度](#)
- [下载中心](#)



[研究人员](#)

- [地理环境与膳食摄...](#)
- [季节因素与食品应...](#)
- [食品协同环境影响...](#)

交流合作
cooperation

资料下载

→ 联系方式

地址: 武汉南湖狮子山街一号华中农业大学
 邮编: 430070
 电话: +86-027-87282111
 邮箱: ecclab@mail.hzau.edu.cn

您当前所在位置: [首页](#)>>[研究队伍](#)>>[研究人员](#)>>[地理环境与膳食摄入研究方向](#)

陈玲玲

发布者: ecd 发布时间: 2012-11-18 13:12

姓名 陈玲玲

职称 教授

电话 027-87280877

Email llchen@mail.hzau.edu.cn

[【关闭】](#)

中国·湖北·武汉南湖狮子山街一号华中农业大学 430070 Tel:+86-027-87282111

Copyright © 2012 食品科学技术学院
All Rights Reserved

技术支持:现代教育技术中心



工作单位	华中农业大学生命科学技术学院 / 环境食品学教育部重点实验室		
学历	2001.09-2004.06	天津大学理学院	博士
	1996.09-1999.06	青岛化工学院化工系	硕士
	1991.09-1995.06	青岛化工学院化工系	本科
职 历	2009.02-至今	华中农业大学	教授/博导
	1999.07-2009.01	山东理工大学	讲师、副教授
	1995.07-1996.08	山东滨州印染集团有限公司	质检员
主要兼职	担任 <i>J. Biomol. Struct. Dyn., Gene, Future Medicine</i> , 遗传、《生物化学与生物物理进展》等多种国内外刊物审稿人		
研究方向	1. 微生物基因组分析及代谢调控网络构建; 2. 植物基因组及转录组分析。		

承担项目	<ol style="list-style-type: none"> 2013.01-2016.12主持国家自然科学基金“地衣芽孢杆菌γ-聚谷氨酸、杆菌肽代谢调控机理的系统生物学研究” (No: 31271406) 2012.01-2015.12 863子课题“水稻组学、资源和生物信息平台” (No: 2012AA10A304) 2011.01-2013.12主持国家自然科学基金“基于胡萝卜软腐欧文氏菌基因组信息的农用杀菌活性化合物筛选” (No: 31071659)
研究成果	<p>学术论文</p> <ol style="list-style-type: none"> Qiang Xu[#], Ling-Ling Chen[#], Xiaoran Ruan[#], <i>et al.</i> The draft genome of sweet orange (<i>Citrus sinensis</i>). <i>Nature Genetics</i>, 2012, in press.[#] Co-firstauthor Dijun Chen, Chunhui Yuan, Jian Zhang, Zhao Zhang, Lin Bai, Yijun Meng, Ling-Ling Chen*, Ming Chen*. PlantNATsDB: a comprehensive database of plant natural antisense transcripts. <i>Nucleic Acids Res.</i>, 2012, 40: D1187-1193. Qian Wang, Yang Lei, Xi-Wen Xu, Gejiao Wang*, Ling-Ling Chen*. Theoretical prediction and experimental verification of protein-coding genes in plant pathogen genome <i>Agrobacterium tumefaciens</i> strain C58. <i>PLoS One</i>, 2012, 7: e43176. Yang Lei, Shou-Kai Kang, Junxiang Gao, Xi-Shuai Jia and Ling-Ling Chen*. Improved annotation of a plant pathogen genome <i>Xanthomonas oryzae</i> pv. <i>oryzae</i> PXO99A. <i>J. Biomol. Struct. Dyn.</i>, 2012, in press. Na Gao, Ling-Ling Chen*, Hong-Fang Ji, Wei Wang, Ji-Wei Chang, Bei Gao, Lin Zhang, Shi-Cui Zhang, Hong-Yu Zhang*. DIGAP - a database of improved gene annotation for phytopathogens. <i>BMC Genomics</i>, 2010, 11: 54. Junxiang Gao, Ling-Ling Chen*. Theoretical methods for identifying important functional genes in bacterial genomes. <i>Res. Microbiol.</i>, 2010, 161: 1-8. Jing-Nan Zhao, Yuan Wang, Bo-Sheng Zhao, Ling-Ling Chen*. Analyzing S-adenosylhomocysteine hydrolase gene sequences in deuterostome genomes. <i>J. Biomol. Struct. Dyn.</i>, 2009, 27: 371-380. Hong-Yu Zhang, Xue-Juan Li, Na Gao, Ling-Ling Chen. Antioxidants used by <i>Deinococcus radiodurans</i> and implications for antioxidant drug discovery. <i>Nat. Rev. Microbiol.</i>, 2009, 7: 476. Ling-Ling Chen*, Bin-Guang Ma, Na Gao, Reannotation of hypothetical ORFs in plant pathogen <i>Erwinia carotovora</i> subsp. <i>atroseptica</i> SCR11043. <i>FEBS J.</i>, 2008, 275: 198-206. Guang-Zhong Wang, Ling-Ling Chen*, Hong-Yu Zhang, Phase-dependent nucleotide substitution in protein-coding sequences. <i>Biochem. Biophys. Res. Commun.</i>, 2007, 355: 599-602. <p>* 通信作者。</p>
出版教材	参与编写《生物信息学》(陈铭主编)中第3部分《序列比对》，第9部分《统计分析》，科学出版社，2012
备注	