



主办：
中国烟草学会

中国烟草学报
ACTA TABACARIA SINICA

ISSN 1004-5
CN 11-2985

烟草DNA的提取与SRAP反应体系的建立

梁景霞 祁建民 吴为人 周东新 陈顺辉 王涛 陶爱芬

以10个烟草栽培品种为试验材料,研究了烟草DNA的提取方法以及对建立烟草SRAP-PCR反应体系的影响因子设置梯度实验,筛选和建立可扩增多态性高、重复性好、带型清晰的最佳SRAP-PCR反应条件:在25 μ L的反应体系中,MgCL₂2.0mmol、dNTP200 μ mol,上下引物各30ng、DNA模板40ng、DNA聚合酶1.5U,扩增程序为:在94 $^{\circ}$ C预变性5min,反应前5个循环在94 $^{\circ}$ C 1min,33 $^{\circ}$ C 1min,72 $^{\circ}$ C 1min条件下运行;随后的30个循环复性温度提高到53 $^{\circ}$ C,最后72 $^{\circ}$ C延伸5min。本文还讨论了不同分子标记在烟草中应用的优缺点以及SRAP分子标记构建烟草遗传图谱的可行性。

关键词:烟草 DNA提取 SRAP反应体系

中图分类号:TS41.3 文献标识码:A 文章编号:1004-5708(2005)04-0033-06

梁景霞,女,福建农林大学生命科学院在读硕士研究生,从事烟草种质资源的研究,福州,350002

祁建民,通讯作者,福建农林大学生命科学院,研究员,硕士生导师,Email:Qijm863@sina.com,传真电话0591-83769744

周东新,龙岩市烟草研究所,龙岩,364000

陈顺辉,福建省烟草科学研究所,福州,350003

吴为人,王涛,陶爱芬,通讯地址同第一作者

收稿日期:2004-12-08