



主办：
中国烟草学会

中国烟草学报
ACTA TABACARIA SINICA

ISSN 1004-5
CN 11-2985

木霉的RAPD分析

李梅云 刘开启 李天飞 王 革 高家合

运用随机扩增多态性DNA (RAPD) 技术对18个木霉菌株进行基因组DNA多态性分析。扩增结果表明, 18个引物均反映出18个菌株间的遗传多态性, 供试18个木霉菌株的RAPD分析与其生防效果之间不存在相关性。引物OPA—04与OPA—13对木霉菌全基因组DNA具有特征性分子标记。聚类分析结果表明, 种间的聚类分析结果与形态鉴定的结果趋于一致。以欧氏距离5.0—5.5为适宜的阈值范围, RAPD遗传标记木霉菌可以作为该菌分类的有效手段之一。

关键词: 木霉 RAPD分析 聚类分析

中图分类号: S572.01 文献标识码: A 文章编号: 1004—5708(2004)03—0038—04

李梅云, 女, 硕士, 助理研究员, 从事烟草病害研究工作, 云南省烟草科学研究院农业所生物技术室, 昆明, 650106

刘开启, 山东农业大学植保系, 泰安, 271018

李天飞, 高家合, 通讯地址同第一作者

王革, 红塔集团技术中心, 玉溪, 653100

本研究为国家烟草专卖局、云南省科委和云南省烟草公司(NO·99A22)资助项目。

收稿日期: 2003—06—14