

研究报告

利用RAPD分子标记研究酵母菌的亲缘关系

徐勇, 张博, 勇强, 黄敏仁, 余世袁

南京林业大学, 化学工程学院, 江苏, 南京, 210037

收稿日期 2004-7-13 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 采用随机扩增多态性DNA(RAPD)分子标记对 6个属的 21个酵母菌株的基因组DNA的多态性进行了研究, 并采用聚类分析法评价它们之间的亲缘关系。研究表明,RAPD能够检测出酵母种内微小的遗传学差异,以其特征谱带作为酵母菌种鉴定的特征标记。聚类分析结果显示,休哈塔假丝酵母与热带假丝酵母之间亲缘较近,遗传距离为 0.114,它们与毕赤树干酵母之间遗传距离为 0.493;粟酒裂殖酵母与卡斯伯酒香酵母的亲缘关系较近,遗传距离为 0.322;嗜单宁管囊酵母与克鲁斯假丝酵母间的亲缘较近,遗传距离为0.383,它们与酿酒酵母间的遗传距离达到 0.443,与产朊丝酵母聚类的遗传距离是 0.471。除假丝酵母属外,大多数酵母属、种间的分类结果与经典形态学分类结果相符。

关键词 [酵母](#) [分子标记](#) [分类与鉴定](#) [亲缘关系](#)

分类号 [TQ920.1](#) [Q819](#)

DOI:

通讯作者:

作者个人主页: 徐勇; 张博; 勇强; 黄敏仁; 余世袁

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF](#) (555KB)
- ▶ [\[HTML全文\]](#) (0KB)
- ▶ [参考文献\[PDF\]](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“酵母”的 相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章
 - [徐勇](#)
 - [张博](#)
 - [勇强](#)
 - [黄敏仁](#)
 - [余世袁](#)