

- >> 首页
- >> 被收录信息
- >> 投稿须知
- >> 模板下载
- >> 信息发布
- >> 常见问题及解答
- >> 合作单位
- >> 产品介绍
- >> 编委会/董事会
- >> 关于我们
- >> 网上订阅
- >> 友情链接

友情链接

- >> 中国期刊网
- >> 万方数据资源库
- >> 台湾中文电子期刊
- >> 四川省计算应用研究中心
- >> 维普资讯网



一个基于软件设计模式的生物信息存储模式

Storage pattern of bio-information based on software design patterns

摘要点击: 28 全文下载: 13

[查看全文](#) [查看/发表评论](#) [下载PDF阅读器](#)

中文关键词: [生物信息抽象](#) [生物数据存储模式](#) [设计模式](#) [可扩展标记语言](#)

英文关键词: [bio-information abstraction](#) [biological data storage pattern](#) [design patterns](#) [XML](#)

基金项目:

作者

[杨进才](#), [赵森](#), [刘小姣](#), [胡金柱](#)

单位

[\(华中师范大学 计算机科学系, 武汉 430079\)](#)

中文摘要:

为了消除各生物信息学数据库之间的模式异构问题, 根据生物信息的存储现状, 提出了一种存储模式。该模式从物种、类别、基本信息、功能和测序方法五个方面对数据中的信息进行抽象。运用了软件设计模式的思想, 通过“派生”“组装”等面向对象的方法生成与模式对应的XML schema文件。抽象出的存储模式不但能使数据之间的关系更加紧密, 而且可以形成交叉索引的完整生物信息体系。

英文摘要:

For eliminating the pattern heterogeneous between bio-information databases, this paper proposed a storage pattern according to the current storage status of biological data, which abstracted data information from five aspects, including species, category, basic information, function, and sequencing method. Generated the corresponding XML schema files by using concepts of design patterns and some object-oriented means like “deriving” and “assembling”. This storage pattern can not only make the relationships between biological data more close, also can form a complete biological information system with cross-index.

您是第2828125位访问者

主办单位: 四川省计算机研究院 单位地址: 成都市武侯区成科西路3号

服务热线: 028-85249567 传真: 028-85210177 邮编: 610041 Email: arocmag@163.com

蜀ICP备05005319号 本系统由北京勤云科技发展有限公司设计