

理论研究

## 基于蛋白质CGR的线粒体蛋白质序列比对

张立婷<sup>1</sup>, 管维红<sup>1</sup>, 徐振源<sup>2</sup>

1.江南大学 信息工程学院, 江苏 无锡 214122

2.江南大学 理学院, 江苏 无锡 214122

收稿日期 2007-8-22 修回日期 2007-12-3 网络版发布日期 2008-4-24 接受日期

**摘要** 利用蛋白质混沌游走表示法 (PCGR) 提出一种新的蛋白质序列比对方法。通过计算两序列之间的PCGR点距离

### 扩展功能

#### 本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(1228KB\)](#)
- ▶ [HTML全文\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

#### 服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

#### 相关信息

- ▶ [本刊中 包含 “蛋白质混沌游走表示法” 的相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章
  - [张立婷](#)
  - [管维红](#)
  - [徐振源](#)