

软件技术与数据库

基于P2HP平台的蛋白质折叠分布式计算

刘 宇¹, 吕志鹏², 罗 飞²

(1. 武汉科技大学计算机学院, 武汉 430081; 2. 华中科技大学计算机学院, 武汉 430074)

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 2008-4-24 接受日期

摘要 通过对基于格点模型的PERM算法进行定性分析, 提出并行化计算PERM算法的策略。该策略保存了PERM算法中最关键的平均权重向量, 并分发至多个计算单元进行模拟运算, 从而达到减少计算时间、提高运算结果精确度的目的。以P2HP为计算平台, 对多条蛋白质序列进行模拟运算。实验结果表明, 基于PERM的蛋白质折叠并行计算方法能够在P2HP平台上获得较优的性能。

关键词 [蛋白质折叠](#) [分布式计算](#) [对等网络](#)

分类号 [TP311](#)

DOI:

通讯作者:

作者个人主页: [刘 宇¹](#); [吕志鹏²](#); [罗 飞²](#)

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF \(280KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献\[PDF\]](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“蛋白质折叠”的 相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章
 - [刘 宇¹, 吕志鹏², 罗 飞²](#)