



www.most.gov.cn

## 科学家开发医学大模型以助力诊断与知识共享

日期: 2023年09月07日 14:34 来源: 科技部生物中心 【字号: 大 中 小】

医学领域缺乏公开可用的标注医学图像,这是计算研究和教育创新的一大障碍。与此同时,许多去标识化的图像和丰富的知识被临床医生在医学Twitter等公共平台上分享。

近日,发表在《Nature Medicine》上的一篇题为“A visual-language foundation model for pathology image analysis using medical Twitter”的文章中,斯坦福大学研究团队开发了基于视觉和语言的医学大模型,以助力医学诊断与知识共享。

在该论文中,研究人员构建了一个名为OpenPath的大型数据集,其中包含208,414张病理图像,每张图像都与自然语言描述相匹配。通过开发病理语言-图像预训练(PLIP)模型,研究人员充分展示了这一资源的价值。PLIP是一种多模态人工智能模型,能够理解图像和文本,它是基于OpenPath数据集进行训练的,PLIP在对四个外部数据集进行新病理图像分类时表现出色,使用户能够通过图像或自然语言搜索检索相似的病例,极大地促进了知识共享。该研究表明,公开共享的医学信息是一个宝贵的资源,可以用于开发医学人工智能,提升诊断、知识共享和教育水平。

注:此研究成果摘自《Nature Medicine》,文章内容不代表本网站观点和立场,仅供参考。

扫一扫在手机打开当前页



打印本页

关闭窗口



版权所有: 中华人民共和国科学技术部

办公地址: 北京市海淀区复兴路乙15号 | 联系我们

邮政地址: 北京市海淀区复兴路乙15号 | 邮政编码: 100862

ICP备案序号: 京ICP备05022684 | 网站标识码: bm06000001 | 建议使用IE9.0以上浏览器或兼容浏览器