



教师姓名: 何增有

最后更新: 2010-09-06

大连理工大学软件学院

一、基本情况

姓名:	何增有
性别:	男
职称:	副教授
职务:	教师
学历:	博士
出生年月:	1976年11月



二、学习及工作经历

2010年3月-至今: 大连理工大学软件学院, 副教授. 2007年2月-2010年2月: 香港科技大学电子与计算机工程系, 博士后. 1996年3月-2006年11月: 哈尔滨工业大学计算机系, 本科、硕士, 博士.

三、研究领域

数据挖掘及其应用, 生物信息学

四、讲授课程

数据结构与算法, 分布式数据库

五、承担项目

1. 2010年4月-2011年12月, “高维相似链接操作算法及其应用”, 大连理工大学基本科研业务费(引进人才科研启动经费), 主持(PI) 2. 2010年7月-2011年12月, “基于集合覆盖的蛋白质磷酸化位点预测”, 大连理工大学基本科研业务费(学科交叉前沿之软件+X), Co-PI

六、主要科研成果

1. 针对离群点挖掘, 首次提出了基于频繁模式发现的分析方法; 提出了基于优化模型的检测方法; 提出了基于多准则决策的离群点挖掘框架, 并给出了有效的分析方法; 提出了基于类别离群点挖掘问题。 2. 针对聚类分析问题, 首次指出了离散数据聚类和聚类集成之间的等价性, 并利用此性质提出了一系列新颖有效的聚类分析算法; 针对大规模数据集, 提出了一些快速的一次扫描分析算法; 针对著名的k-modes算法, 设计了一个新的距离计算方法, 极大的提高了聚类分析的准确率。 3. 对动作规则挖掘的概念和研究问题给出确切的形式化描述, 从而使其成为一个新的数据挖掘研究问题, 并提出了两个行之有效的算法, 为该领域的进一步研究工作打下了坚实的理论基础。 4. 针对基于质谱数据分析的蛋白质鉴定, 提出了基于数据融合的识别算法; 提出面向蛋白质鉴定的优化模型, 并给出了高效的求解算法。

七、发表论文

1.Z. He, C. Yang, W. Yu. A Partial Set Covering Model for Protein Mixture Identification Using Mass Spectrometry Data. IEEE/ACM Transactions on Computational Biology and Bioinformatics, in press. 2.S.

陈鑫	贾棋	刘宇
曹晓东	杜宛宜	高莹
韩兰灵	韩瑜	姜国海
江贺	江波	赖晓晨
李明楚	刘莉	樊鑫
刘馨月	刘玉琴	李雪
马瑞新	朴勇	乔国钧
覃振权	邱铁	单世民
时春慧	蒋光远	田琳琳
田园	王宇	王征
吴国伟	颜冰	姚琳
原旭	于红	于亮
王雷	赵小微	徐秀娟
张冬瑜	赵圣花	赵秀云
周勇	郭禾	张宪超
侯刚	李映夏	刘辉
孙伟峰	樊宇	夏锋
毕杨	邹善军	许真珍
林闯	胡燕	李豪杰
梁文新	金乃高	王祎
周宽久	何增有	马洪连
刘斌	史哲文	丁锋
陈志奎	王洁	孔祥杰
陈旻	韩鑫	林林
杨卓	李凤岐	孙亮
周勇	迟宗正	朱明
姜厚云	林乐春	丁宁
刘金鹏	陆坤	刘艳伟
马洪连	周纯岳	于成
刘善射	郭成	王胜法
王智慧		

Deng, Z. He, X. Xu. G-ANMI: A Mutual Information Based Genetic Clustering Algorithm for Categorical Data. Knowledge-Based Systems, 2010, 23(2): 144-149 3.Z. He, W. Yu. Improving Peptide Identification with Single-Stage Mass Spectrum Peaks. Bioinformatics, 2009, 25(22): 2969-2974. 4.C. Yang, Z. He, X. Wan, Q. Yang, H. Xue, W. Yu. SNPHarvester: A Filtering-based Approach for Detecting Epistatic Interactions in Genome-Wide Association Studies. Bioinformatics, 2009, 25(4): 504-511. 5.C. Yang, Z. He, W. Yu. Comparison of Public Peak Detection Algorithms for MALDI Mass Spectrometry Data Analysis. BMC Bioinformatics, 2009, 10: 4. 6.M. Dakna, Z. He, W. Yu, H. Mischak, W. Choch. Technical, bioinformatical and statistical aspects of LC-MS and CE-MS based clinical Proteomics: a critical assessment. Journal of Chromatography B, 2009, 877(13): 1250-1258. 7.Z. He, C. Yang, W. Yu. Peak bagging for peptide mass fingerprinting. Bioinformatics, 2008, 24 (10): 1293-1299. 8.W. Yu, Z. He, J. Liu, H. Zhao. Improving Mass Spectrometry Peak Detection Using Multiple Peak Alignment Results. Journal of Proteome Research, 2008, 7 (1):123-129. 9.Z. He, X. Xu, S. Deng. k-ANMI: A mutual information based clustering algorithm for categorical data. Information Fusion, 2008, 9 (2): 223-233. 10.M.K. Ng, M.J. Li, J. Huang, Z. He. On the Impact of Dissimilarity Measure in k-modes Clustering Algorithm. IEEE Transactions on Pattern Analysis and Machine Intelligence, 2007, 29 (3): 503-507. 11.Z. He, X. Xu, S. Deng. Mining Top-K Strongly Correlated Item Pairs without Minimum Correlation Threshold. International Journal of Knowledge-Based & Intelligent Engineering Systems (KES Journal), 2006, 10(2): 105-112. 12.Z. He, X. Xu, S. Deng, R. Ma. Mining Action Rules from Scratch. Expert Systems with Applications, 2005, 29(3): 691-699 13.Z. He, X. Xu, S. Deng. TCSOM: Clustering Transactions Using Self-Organizing Map. Neural Processing Letters, 2005, 22:249-262. 14.Z. He, X. Xu, S. Deng. Scalable Algorithms for Clustering Mixed Type Attributes in Large Datasets. International Journal of Intelligent Systems, 2005, 20(10): 1077-1089. 15.Z. He, X. Xu, S. Deng. A Cluster Ensemble Method for Clustering Categorical Data. Information Fusion, 2005, 6(2): 143-151. 16.Z. He, X. Xu, J. Huang, S. Deng. Mining Class Outliers: Concepts, Algorithms and Applications in CRM. Expert Systems with Applications, 2004, 27(4): 681-697. 17.Z. He, X. Xu, S. Deng. Discovering Cluster Based Local Outliers. Pattern Recognition Letters, 2003, 24(9-10): 1641-1650. 18.Z. He, X. Xu, S. Deng. Squeezer: An Efficient Algorithm for Clustering Categorical Data. Journal of Computer Science and Technology, 2002, 17(5):611-624 19.Z. He, C. Yang, C. Yang, R. Z. Qi, J. P-M. Tam, W. Yu. Optimization-Based Peptide Mass Fingerprinting for Protein Mixture Identification. RECOMB'09, 2009 20.Z. He, S. Deng, X. Xu, J. Huang. A Fast Greedy algorithm for outlier mining. Proc. of PAKDD'06, 2006. 21.Z. He, S. Deng, X. Xu. Approximation Algorithms for K-Modes Clustering. Proc. of ICIC'06, LNAI 4114, pp. 296-302, 2006 22.Z. He, S. Deng, X. Xu. An Optimization Model for Outlier Detection in Categorical Data. Proc. of ICIC' 05, LNCS 3644, pp.400-409, 2005. 23.Z. He, S. Deng, X. Xu. A Unified Subspace Outlier Ensemble Framework for Outlier Detection. Proc. of WAIM'2005, LNCS 3739, pp. 632-637,2005. 24.Z. He, S. Deng, X. Xu. An FP-Tree Based Approach for Mining All Strongly Correlated Item Pairs. Proc. of CIS' 05, LNAI 3801, 2005, pp.735-740 25.Z. He, S. Deng, X. Xu. Improving K-Modes Algorithm Considering Frequencies of Attribute Values in Mode. Proc. of CIS' 05, LNAI 3801, 2005, pp. 157-162 26.Z. He, J. Huang, S. Deng, X. Xu. A Frequent Pattern Discovery Method for Outlier Detection. Proc. of WAIM' 04, LNCS 3129, 2004, pp. 726-732 27.Z. He, S. Deng, X. Xu. Outlier Detection Integrating Semantic Knowledge. Proc. of WAIM' 02, LNCS 2419, 2002, pp.126-131.

八、学术著作或教材目录

暂无相关介绍

九、获奖情况

1.黑龙江省自然科学2等奖，2008. 2.哈尔滨工业大学第11届校优秀博士论文，2009

十、社会学术兼职情况

担任Bioinformatics, IEEE Trans. On Knowledge and Data Engineering等期刊的审稿人

联系方式

办公电话: 0411-87571630

电子信箱: zyhe@dlut.edu.cn

地址: 中国·大连市经济技术开发区8号路 大连理工大学软件学院 电话: 086-411-87571567 邮编: 116020

版权所有: 大连理工大学软件学院 Copyright © 2007 All rights reserved. 技术支持: 大连理工大学N维网