

泉生热袍菌结构基因组的选靶研究

裴剑锋; 来鲁华

北京大学化学与分子工程学院, 分子动态与稳态结构国家重点实验室, 北京 100871; 北京大学理论生物学中心, 北京 100871

摘要:

对泉生热袍菌进行了结构基因组的选靶研究, 从泉生热袍菌的蛋白组中挑选了20个蛋白质作为第一批进行结构测定的目标, 以发现新的蛋白质折叠模式. 选靶研究主要使用了BLAST搜索, PSI-BLAST搜索和ProtoNet数据库搜索等方法. 另外, 还用PredictProtein程序对选中的蛋白质进行了二级结构和外形预测. 选中的20个蛋白质中有8个被克隆、表达和纯化, 其中2个得到了单晶并收集了X衍射数据. 实验结果和最近一些文献报道的结果表明, 挑选的一些蛋白质具有新的折叠模式, 表明了这种选靶策略的有效性.

关键词: 泉生热袍菌 结构基因组 选靶 蛋白质结构 BLAST PSI-BLAST ProtoNet

收稿日期 2004-09-29 修回日期 2004-12-01 网络版发布日期 2005-05-15

通讯作者: 来鲁华 Email: lhlai@pku.edu.cn

本刊中的类似文章

扩展功能

本文信息

PDF(179KB)

服务与反馈

把本文推荐给朋友
加入我的书架
加入引用管理器
引用本文

Email Alert
文章反馈
浏览反馈信息

本文关键词相关文章

▶ 泉生热袍菌
▶ 结构基因组
▶ 选靶
▶ 蛋白质结构
▶ BLAST
▶ PSI-BLAST
▶ ProtoNet

本文作者相关文章

▶ 裴剑锋
▶ 来鲁华