



www.most.gov.cn

瑞典开发出预测生物蛋白质同源关系研究平台

日期: 2023年05月12日 14:31 来源: 科技部合作司 【字号: 大 中 小】

瑞典卡罗林斯卡医学院国家生命科学实验室开发了一种新的研究工具——InParanoiDB9, 旨在增进对不同生物体之间蛋白质同源关系的理解。它预测了640个物种之间超10亿个直向同源群, 为蛋白质结构域和全长蛋白质提供了直向同源预测。

该数据库使用尖端算法(如InParanoid DIAMOND、Domainoid和Pfam)创建, 以确保其准确性, 预测了来自包括真核生物、细菌和古菌在内的各种生物的超10亿个直向同源群。为InParanoiDB 9开发的新网站提供了不同的搜索选项和可视化功能, 以帮助用户探索数据库中的同源组和域。

本文摘自国外相关研究报道, 文章内容不代表本网站观点和立场, 仅供参考。

扫一扫在手机打开当前页



打印本页

关闭窗口



版权所有: 中华人民共和国科学技术部

办公地址: 北京市海淀区复兴路乙15号 | 联系我们

邮政地址: 北京市海淀区复兴路乙15号 | 邮政编码: 100862

ICP备案序号: 京ICP备05022684 | 网站标识码: bm06000001 | 建议使用IE9.0以上浏览器或兼容浏览器