

English

搜索

工程教育认证
CEEAA

网站首页 学院概况 师资队伍 学科建设 本科生 研究生 学术科研 学生工作 党建工作 教工之家 校友风采 下载中心

师资队伍

教师名录

你现在的位置: 首页 > 师资队伍 > 教师名录 > 副高级 (副教授、副研究员、高级工程师、高级实验师)

王国增

2014-12-08 阅读数: 3832

姓名: 王国增 性别: 男
 职称: 副研究员 学历: 博士
 电话: 电子邮件:

wanggz@fzu.edu.cn



研究方向: 极端环境微生物酶的分子生物学与蛋白质工程

教育工作经历:

2002-2006: 东北农业大学, 学士, 生物技术
 2006-2011: 中国农业科学院研究生院, 博士, 生物化学与分子生物学
 2011-2013: 中国农业科学院生物技术研究所, 宏基因组来源的微生物酶研究
 2013-今: 福州大学生物科学与工程学院, 微生物酶工程

教学简介:

本科生课程: 蛋白质与酶工程, 基因工程
 研究生课程: 现代微生物生物技术

科研简介:

在环境微生物木聚糖酶多样性及微生物来源的新酶基因的克隆表达及性质研究等进行了大量的研究。主持国家自然科学基金青年基金项目1项, 作为课题骨干参加国家863项目1项, 福建省高校杰出青年人才项目1项, 主持福建省自然科学基金项目、校人才基金和校科技发展基金各1项。以第一作者或通讯作者在Bioresource Technology、Scientific Reports、PLoS ONE、Applied Microbiology and Biotechnology、Biochemical and Biophysical Research Communications等刊物上发表SCI论文12篇。参与发表SCI论文8篇, 申请发明专利5项, 其中获得授权1项。

社会兼职:

福建省微生物学会理事

科研项目:

- 福建省高校杰出青年科研人才计划, SW2015-01, 宏基因组技术发掘和利用盐碱湖中极端微生物碱性酶基因资源, 2015/07-2017/12, 主持。
- 福建省自然科学基金, 2015J05066, 大布苏盐碱湖底泥微生物宏基因组中新木聚糖酶基因克隆表达及其特性研究, 2015/04-2018/04, 主持。
- 国家自然科学基金青年基金项目, 31301406, 山羊瘤胃微生物宏基因组来源的低温木聚糖酶XynGR40冷适应机制的研究, 2014/01-2016/12, 主持。
- 校人才基金, XRC-1326, 盐碱湖微生物木聚糖酶基因多样性及新基因克隆和酶特性研究, 2013/06-2015/08, 主持。
- 校科技发展基金, 2013-XY-16, 北极海洋底泥微生物新木聚糖酶基因克隆及酶学特性研究, 校科技发展基金, 2013/07-2015/12, 主持
- 国家高技术研究发展计划, 2012AA022105, 基因组多位点快速进化与改良, 2012/12-2015/12, 910万元, 参与。

代表性论文: (*为通讯作者)

[1] G. Wang, J. Wu, R. Yan, J. Lin*, X. Ye*, A Novel Multi-domain High Molecular, Salt-Stable Alkaline Xylanase from Alkalibacterium sp. SL3, Frontiers in microbiology 7 (2017) 2120.

- [2] **G. Wang**, J. Wu, J. Lin, X. Ye*, B. Yao*, The disruption of two salt bridges of the cold-active xylanase XynGR40 results in an increase in activity, but a decrease in thermostability, *Biochemical and biophysical research communications* 481(1-2) (2016) 139-145.
- [3] **G. Wang**, Q. Wang, X. Lin, T.B. Ng, R. Yan, J. Lin*, X. Ye*, A novel cold-adapted and highly salt-tolerant esterase from *Alkalibacterium* sp. SL3 from the sediment of a soda lake, *Scientific reports* 6 (2016) 19494.
- [4] X. Huang, J. Lin, X. Ye, **G. Wang***, Molecular Characterization of a Thermophilic and Salt- and Alkaline-Tolerant Xylanase from *Planococcus* sp. SL4, a Strain Isolated from the Sediment of a Soda Lake, *Journal of microbiology and biotechnology* 25(5) (2015) 662-71.
- [5] **G. Wang**, X. Huang, T.B. Ng, J. Lin*, X.Y. Ye*, High phylogenetic diversity of glycosyl hydrolase family 10 and 11 xylanases in the sediment of Lake Dabusu in China, *PLoS one* 9(11) (2014) e112798.
- [6] **G. Wang**, K. Meng, H. Luo, Y. Wang, H. Huang, P. Shi, P. Yang, Z. Zhang*, B. Yao*, Phylogenetic diversity and environment-specific distributions of glycosyl hydrolase family 10 xylanases in geographically distant soils, *PLoS one* 7(8) (2012) e43480.
- [7] Y. Li[‡], **G. Wang[‡]**, J. Tian, H. Liu, H. Yang, Y. Yi, J. Wang, X. Shi, F. Jiang, B. Yao*, Z. Zhang*, Transcriptome analysis of the silkworm (*Bombyx mori*) by high-throughput RNA sequencing, *PLoS one* 7(8) (2012) e43713.
- [8] **G. Wang**, K. Meng, H. Luo, Y. Wang, H. Huang, P. Shi, X. Pan, P. Yang, B. Yao*, Molecular cloning and characterization of a novel SGNH arylesterase from the goat rumen contents, *Applied microbiology and biotechnology* 91(6) (2011) 1561-70.
- [9] **G. Wang**, H. Luo, Y. Wang, H. Huang, P. Shi, P. Yang, K. Meng, Y. Bai, B. Yao*, A novel cold-active xylanase gene from the environmental DNA of goat rumen contents direct cloning, expression and enzyme characterization, *Bioresource technology* 102(3) (2011) 3330-6.
- [10] **G. Wang**, H. Luo, K. Meng, Y. Wang, H. Huang, P. Shi, X. Pan, P. Yang, Q. Diao, H. Zhang, B. Yao*, High genetic diversity and different distributions of glycosyl hydrolase family 10 and 11 xylanases in the goat rumen, *PLoS one* 6(2) (2011) e16731.
- [11] **G. Wang**, Y. Wang, P. Yang, H. Luo, H. Huang, P. Shi, K. Meng, B. Yao*, Molecular detection and diversity of xylanase genes in alpine tundra soil, *Applied microbiology and biotechnology* 87(4) (2010) 1383-93.
- [12] H. Huang[‡], **G. Wang[‡]**, Y. Zhao, P. Shi, H. Luo, B. Yao*, Direct and efficient cloning of full-length genes from environmental DNA by RT-qPCR and modified TAIL-PCR, *Applied microbiology and biotechnology* 87(3) (2010) 1141-9.

获奖情况

中国农业科学院优秀博士论文 (2012)
福建省高校杰出青年人才培养计划 (2015)

其他

上一篇: 张雯

下一篇: 王航