

广西壮族人群线粒体DNA序列遗传多态性分析

袁志刚^{1, 2}, 姚永刚², 马志雄³, 庞启平¹, 接燕荣¹, 马军¹, 张亚平²

1.广西医科大学;南宁 530021; 2.中国科学院昆明动物研究所细胞与分子进化开放实验室;昆明 650223; 3.广西龙州县人民医院;龙州 532400

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 测定了83例广西壮族人的线粒体DNA (mtDNA) 第一高变区515bp的序列, 并从这一母系遗传标记的角度对壮族人群的起源和群体的遗传结构进行了探讨。在所测定的83个个体中, 共检测到66个单倍型, 包括71个多态位点, 显示了高度的遗传多样性。对单倍型的系统发育分析表明: 壮族人群内部存在一定的分化, 不同地区的壮族人群在mtDNA遗传变异上有一定的差异, 其中柳州和河池地区的个体有一半以上属于聚类簇, 而南宁和百色地区的个体属于聚类簇的较多。结合已相关报道的人群比较分析显示, 壮族和我国北方民族群体亲缘关系较远, 而与南方的少数民族及南方汉族亲缘关系较近。壮族人群中单倍型辐射群体分布频率、系统树中壮族人群与其他人群聚类先后次序都表明壮族是一个较为典型的南方群体。

关键词 [线粒体DNA](#) [壮族](#) [亲缘关系](#) [地理分化](#)

分类号

Abstract

Key words

DOI:

通讯作者

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(290KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“线粒体DNA”的相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [袁志刚](#)
- [姚永刚](#)
- [马志雄](#)
- [庞启平](#)
- [接燕荣](#)
- [马军](#)
- [张亚平](#)