

## 绵羊线粒体DNA控制区5'端序列PCR-SSCP与序列分析

赵兴波1, 储明星2, 李宁3, 龚国春4, 吴常信1

1.中国农业大学动物科技学院;北京 100094; 2.中国农业科学院畜牧研究所;北京 100094; 3.中国农业大学农业生物技术国家重点实验室;北京 100094; 4.江西农业大学动物科技学院;南昌 330045

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

**摘要** 通过绵羊线粒体DNA控制区左功能域(5'端序列)PCR-SSCP和序列分析,发现小尾寒羊、乌珠穆沁羊、湖羊、萨福克羊和夏洛来羊以及多赛特公羊与小尾寒羊杂交家系共202只绵羊可归纳为两种类型:突变型和野生型,提示现代绵羊品种在起源上存在两种主要的进化途径。

**关键词** [绵羊](#) [线粒体DNA](#) [PCR-SSCP](#)

分类号

### Abstract

### Key words

DOI:

通讯作者

### 扩展功能

#### 本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(245KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

#### 服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

#### 相关信息

- ▶ [本刊中 包含“绵羊”的 相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [赵兴波](#)
- [储明星](#)
- [李宁](#)
- [龚国春](#)
- [吴常信](#)