

# 家养双峰驼线粒体DNA遗传多样性的研究

权洁霞<sup>1, 2</sup>, 张亚平<sup>1</sup>, 韩建林<sup>2</sup>, 门正明<sup>2</sup>

1.中国科学院昆明动物研究所细胞与分子进化开放实验室;昆明 650223; 2.甘肃农业大学动物生产工程系;兰州 730070

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

**摘要** 利用Apa I、Ava I、BamH I、Bcl I、Bgl I、Bgl II、Dra I、EcoR I、EcoRV、HindIII、Kpn I、Pvu II、Sac I、Sal I、Sca I、Sma I、Xba I和Xho I 18种限制性内切酶的mtDNA限制性片段长度多态(RFLP)分析,对我国双峰驼3个类群的遗传多样性及其亲缘关系进行了研究。结果表明,在双峰驼mtDNA中未发现长度变异和个体内异质现象;从3个类群的87个个体中,共检出了35种限制性态型,12种mtDNA单倍型,家驼群内核苷酸歧异度( $\pi$ )为0.227%,这表明我国的家驼在mtDNA水平存在较丰富的遗传多样性;单倍型分布的差异显著性检验及单倍型的共享度分析表明,mtDNA在这3个类群之间没有明显的遗传分化,其较丰富的遗传变异主要来自群体内的差异,与类群间的遗传分化关系不大;通过mtDNA单倍型间聚类分析,可将家驼整个群体划分为A、B两大类,A型分布频率为94.26%,B型为5.74%,且其分化程度较高,遗传距离(P)为0.0464。

**关键词** [双峰驼](#) [线粒体DNA](#) [遗传多样性](#) [限制性片段长度多态性](#)

分类号

## 扩展功能

### 本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(385KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

### 服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

### 相关信息

- ▶ 本刊中 [包含“双峰驼”的相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [权洁霞](#)
- [张亚平](#)
- [韩建林](#)
- [门正明](#)

## Abstract

## Key words

DOI:

通讯作者