

【作者】	孙小琴, 李恩香, 贾文杰, 彭德镇, 孔令杰, 杨柏云
【单位】	南昌大学生命科学学院, 江西南昌
【卷号】	37
【发表年份】	2009
【发表刊期】	29
【发表页码】	14044-14046, 14050
【关键字】	寒兰; ISSR PCR反应; 遗传多样性
【摘要】	以改良的CTAB法提取的寒兰 (<i>Cymbidium kanran</i> Makino) 基因组DNA为模板, 通过单因子试验建立最适的寒兰的ISSR PCR反应体系。结果表明, 适宜寒兰ISSR PCR反应体系的扩增条件为: 25 μ l PCR 反应体积中, 1 \times PCR buffer, 2.0 mmol/L MgCl ₂ , 300 ng 模板 DNA, 200 μ mol/L dNTP, 1.40 U Taq DNA 聚合酶, 0.4 μ mol/L 引物。最佳扩增程序为: 94 $^{\circ}$ C 预变性 5 min, 然后进行 40 个循环: 94 $^{\circ}$ C 变性 30 s, 复性温度根据各引物的 T _m 值略低1~2 $^{\circ}$ C, 30 s, 72 $^{\circ}$ C 延伸 50 s, 循环结束后 72 $^{\circ}$ C 延伸7 min。
【附件】	 PDF下载 <input type="button" value="PDF阅读器下载"/>

关闭