

金华猪遗传结构及其与太湖猪遗传分化的研究

赵晓枫¹, 吴俊红¹, 徐宁迎^{1*}, 胡晓湘², 李宁²

1 (浙江大学动物科学学院, 杭州 310029)

2 (中国农业大学农业与生物技术国家重点实验室, 北京 100094)

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 本研究利用65个微卫星标记结合荧光标记检测技术,对金华猪I系、II系、III系共271个个体以及嘉兴黑猪、中梅山猪、小梅山猪和二花脸猪等4个太湖猪品种和嵊县花猪各30头的基因型进行了检测,统计分析了金华猪各品系的遗传结构及各猪种群间的遗传分化。结果显示:金华猪品系间具有丰富的遗传变异,平均有效等位基因数以金华猪I系最高,为3.5;其次是II系和III系,分别是2.8和2.5,金华猪3个品系的平均多态信息含量均高于0.5;I、II、III系的平均观察杂合度分别是0.381、0.399和0.442。金华猪3个品系偏离Hardy-Weinberg平衡的程度不一:I系偏离较大,III系次之,II系相对较小。分析认为金华猪各品系存在一定程度的近交,品系间存在不同的等位基因。遗传分化结果显示:金华猪II系和III系间遗传分化相对较小($F_{ST}=0.1883$),但它们与I系间的遗传分化较大, F_{ST} 值分别是0.3663和0.3619。同时,金华猪各品系与太湖猪的遗传关系较近,其中与小梅山猪群体遗传分化相对较小, F_{ST} 值分别为0.3581、0.3560和0.3572。而金华猪各品系与嵊县花猪的遗传分化最大, F_{ST} 值分别为0.4499,0.4654和0.4801,由此可见,金华猪不同于其他浙江省地方品种,有着独立的起源和驯化进程。

关键词 [金华猪](#) [微卫星](#) [多态信息含量](#) [杂合度](#) [遗传多样性](#)

分类号

DOI: 10.3724/SP.J.1003.2008.07399

通讯作者:

作者个人主页: [赵晓枫¹](#); [吴俊红¹](#); [徐宁迎^{1*}](#); [胡晓湘²](#); [李宁²](#)

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF \(313KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\] \(352KB\)](#)
- ▶ [参考文献\[PDF\]](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“金华猪”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

- [赵晓枫](#)
- [吴俊红](#)
- [徐宁迎](#)
- [胡晓湘](#)
- [李宁](#)