



新闻搜索:

请输入关键字

搜 索

南医首页 | 新闻首页 | 校内公告(内网)

要闻 | 时讯 | 医疗
校园深度 | 图集 | 人物
校景媒体 | 视频 | 校报
广播讲座 | 学习 |
广 播

首页 >新闻

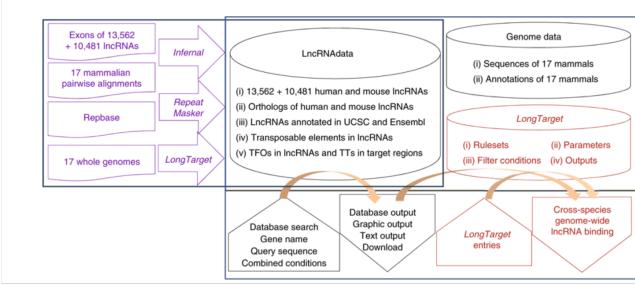
Nature Protocols刊发朱浩、张海课题组研究成果

时间:2019-02-26 21:22:10 来源: 作者: 编辑: 张淼 点击: 16次

新闻摘要: 近日, Nature Protocols发表我校生物信息学系朱浩, 网络中心张海课题组的论文“Pipelines for cross-species and genome-wide prediction of long noncoding RNA binding”, 这是一个依托国家超算广州中心开发的哺乳动物全基因组lncRNA/DNA结合计算分析平台, 朱浩和张海是论文的共同通讯作者。论文指出, 大量研究表明基因组修饰对基因表达具有重要调控作用。能够与DNA结合并把DNA和组蛋白修饰酶(如DNMT和PRC家族蛋白)招募到特...

近日, Nature Protocols发表我校生物信息学系朱浩, 网络中心张海课题组的论文“Pipelines for cross-species and genome-wide prediction of long noncoding RNA binding”, 这是一个依托国家超算广州中心开发的哺乳动物全基因组lncRNA/DNA结合计算分析平台, 朱浩和张海是论文的共同通讯作者。

论文指出, 大量研究表明基因组修饰对基因表达具有重要调控作用。能够与DNA结合并把DNA和组蛋白修饰酶(如DNMT和PRC家族蛋白)招募到特定基因组位点的lncRNA是重要的基因组修饰调控分子。哺乳动物基因组有逾万个lncRNA基因, 许多lncRNA能结合到许多基因组位点, 且许多基因组位点可被许多lncRNA结合, lncRNA的DNA结合位点相当程度决定了它们的表观遗传调控靶基因, 因此分析大量lncRNA的DNA结合域和结合位点对揭示表观遗传调控机制具有重要意义。



热 点

学校召开省委巡视反馈意见整改
学校召开2018年度二级党组织书
【学习】习近平在改革开放40周
我校组织观看“中央庆祝改革开
学校组织开展学习习近平总书记
58名新聘教职员接受入职培训
58名新聘教职员接受入职培训
困难于其易, 为大于其细——陈

分类热点

学校召开省委巡视反馈意见整改
我校获首届粤港澳大湾区青年创
中共中央国务院印发《粤港澳
省委第三巡视组向南方医科大学
南方医科大学党委书记陈敏生:
学校举行“筑梦引航”2019年
大年初一学校党委书记陈敏生看
2019年上半年学校工作会议召开

《南方医科大学报...》

投稿信箱: xcb@smu.edu.cn
联系电话: 020-61648099

人 物



【岐黄学者】李义...

李义凯于1995年从上海中医药大学中医骨伤科博士毕... [详细]



【责任南医人】来...

热依莱姆·阿吾提, 来自新疆喀什, 基础医学院2018... [详细]