

## 重庆市桑树基因组研究取得显著成果

日期：2013年10月12日      重庆市科委

在向仲怀院士的带领下，家蚕基因组生物学国家重点实验室（西南大学）何宁佳教授领衔的研究小组联合浙江省农业科学院、广东省农业科学院、中国林业科学研究院和深圳华大基因研究院等单位的专家，历时三年完成了桑树基因组研究，取得了一系列重要发现。一是确证了桑树染色体基数为7，这是百余年来，对桑树学科发展最重要的贡献之一；二是首次发现桑树基因的进化速度大约是蔷薇目其他物种的3倍，且存在一系列新的多倍体类型，有力地支持了桑树具有广泛适应性和抗逆性；三是在家蚕的血淋巴和丝腺中鉴定出5个预测的桑树来源miRNA，将进一步加深了对植物-植食性昆虫之间适应性进化的理解。9月19日，《桑树（川桑, *Morus notabilis*）全基因组测序》在Nature Communications(自然通讯)上在线发表。

桑树基因组研究的完成是对桑树学科发展里程碑式的贡献，蚕、桑学科的创新与发展将有力推动我国“栽桑养蚕”传统产业的变革与转型。

打印本页 ▶

关闭窗口 ▶