

【光明日报】我科学家搭建超级杂交稻产量基因解析平台

文章来源：光明日报 胡其峰 章蓉蓉

发布时间：2013-08-21

【字号：小 中 大】

8月20日从中国农科院获悉，美国《国家科学院院刊》(PNAS)杂志日前在线发表了一篇关于解析超级杂交稻产量相关基因遗传位点的最新研究论文，这项由中国水稻研究所、深圳华大基因研究院和中国科学院遗传与发育研究所等合作的科研成果，为解析与超级杂交稻产量有关的基因位点提供了宝贵的材料和有效的平台。

中国的杂交稻为世界粮食生产作出了巨大贡献，作为超级杂交稻标杆组合的“两优培九”系列品种，以其丰产特性在生产上大面积种植。中国水稻研究所水稻生物学国家重点实验室的科研人员通过长期努力，构建出132个超级杂交稻“两优培九”的核心重组自交系和1709个用于基因克隆的大规模重组自交系，并与深圳华大基因研究院合作，对核心重组自交系进行了基因组重测序，成功构建了一张超高分辨率的遗传连锁图谱。

科研人员表示，这一大规模的重组自交系群体与超高分辨率遗传图谱的结合，其一系列新的与产量相关的基因，将会被陆续克隆和开展功能研究，从而为进一步阐明超级稻产量的遗传基础，并为基因辅助育种搭建理想平台。

(原载于《光明日报》2013-08-21 第6版)

打印本页

关闭本页