

[首 页](#)[关于本刊](#)[本刊公告](#)[下期预告](#)[投稿须知](#)[刊物订阅](#)[本刊编委](#)[编读往来](#)[联系我们](#)[English](#)

: 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期,
undefined - undefined 页

题目: EST分子标记开发及在比较基因组学中的应用

作者: 李小白 崔海瑞 张明龙*
浙江大学原子核农业科学研究所, 杭州 310029

摘要: 数量迅速增加的EST (expressed sequence tags) 为分子标记的开发提供了宝贵的资源。与来自于基因组DNA开发的传统标记相比, 以EST为基础的分子标记是一种新型分子标记, 具有其显著的优势, 如开发简便、信息量高和通用性好等, 在多方面都有重要的利用价值。本文详细地介绍了目前基于EST开发的5类分子标记以及基于生物信息学方法的开发策略, 这些标记包括EST-PCR、EST-SSR、EST-SNP、EST-RFLP和EST-AFLP。此外, 对这些标记在比较基因组学研究中的应用进行了评述, 包括比较作图、遗传多样性评价及系统发育研究等。

关键词: EST, 标记开发, 比较作图, 遗传多样性, 系统发育学

通讯作者: 张明龙 (E-mail: zml@zju.edu.cn).

这篇文章摘要已经被浏览 385 次, 全文被下载 379 次。

[下载PDF文件 \(267627 字节\)](#)

您是第: **348389** 位访问者

《昆虫学报》编辑部

地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所

邮 编: 100080

电 话: 010-82872092

传 真: 010-62569682

E-mail: kxcb@ioz.ac.cn

网 址: <http://www.insect.org.cn>