

利用YADE法进行棉花基因组PCR步行

肖月华, 罗明, 方卫国, 罗克明, 侯磊, 罗小英, 裴炎

西南农业大学生物技术中心;重庆400716

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 设计了一种依靠“Y”形接头延伸未知序列的方法(YADE, Y-shaped Adaptor-Dependant Extension),成功地抑制了在未知序列扩增中的单引物扩增。用这种方法从棉花基因组中扩增了一个棉花胚珠cDNA片段F027的相邻序列-F027S和F027A。重叠分析表明, F027S与F027有104bp的重叠, F027A与F027有175bp的重叠。两个延伸片段分别含有1和3个可能的内含子, 内含子均具有保守的边界序列GT-AG和与哺乳动物类似的分枝点序列。还对YADE法扩增未知序列的优缺点和可能的改进作了进一步讨论。

关键词 [棉花](#) [PCR步行](#) [YADE法](#) [“Y”形接头](#)

分类号

Abstract

Key words

DOI:

通讯作者

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(170KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“棉花”的 相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [肖月华](#)
- [罗明](#)
- [方卫国](#)
- [罗克明](#)
- [侯磊](#)
- [罗小英](#)
- [裴炎](#)