

3号染色体短臂末端两个大片段基因组区域的基因分布与GC含量分析

牛宇欣^{1, 2}, 胡松年², 杨焕明^{1, 2, ①}

1.中国科学院遗传与发育生物学研究所人类基因组中心;北京100101;2.北京华大基因研究中心;北京101300

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 运用鸟枪法测序技术,得到了位于3p25.1和3p26.1区域、大小分别为328 kb和753 kb的2个基因组片段,分析各片段的GC含量及重复顺序的分布特征,并研究不同区域内的基因分布密度。结果表明,位于3p25.1区域的328 kb片段具有较高的GC含量,在此区域内蛋白编码基因分布密度较高,而位于3p26.1区域的753 kb片段平均GC含量较低,并且是基因贫乏区域。同时发现:GC-rich的SINE类重复顺序在GC含量较高的区域有较高的覆盖率,相反AT-rich的LINE类重复顺序在GC较低的区域分布较多,基因分布与基因组这一关系的形成是基因与基因组长期共进化的结果。

关键词 [鸟枪法测序](#) [基因密度](#) [GC含量](#) [重复顺序](#)

分类号

1.Reproductive Engineering Laboratory; Xiangya Medical College; Central-South University; Changsha 410078;China;2.Hunan Provincial Key Laboratory of Birth Health & Heredity; Changsha 410005; China

Abstract

Key words [gene cloning](#) [alternatively splicing](#) [Down s syndrome](#) [expression profile](#)

DOI:

通讯作者

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(254KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“鸟枪法测序”的相关文章](#)
- ▶ [本文作者相关文章](#)

- [牛宇欣](#)
- [胡松年](#)
- [杨焕明](#)
-
-