

小麦A, B和D基因组同源DNA序列在进化过程中的演变研究

余波澜, 黄朝峰, 周文娟, 张文俊

中国科学院遗传所植物细胞与染色体工程国家重点实验室;北京 100101

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 选取已定位的大麦1H染色体的STS标记MWG913为引物, 在普通小麦(*Tritium aestivum* L.)及其4个可能的起源种乌拉尔图小麦(*T. urartu* T.)、栽培一粒小麦(*T. monococcum* L.)栽培二粒小麦(*T. dicoccum* S.)、方穗山羊草(*Ae. squarrosa* L.)上特异性扩增。扩增产物克隆测序后对其进行序列分析, 由序列差异的程度来确定这几个物种之间的亲缘关系。实验结果表明, 普通小麦(*Tritium aestivum* L.)的A基因组此段序列和乌拉尔图小麦(*T. urartu* T.)、栽培一粒小麦(*T. monococcum* L.)、栽培二粒小麦(*T. dicoccum* S.) A基因组此段序列完全相同; 普通小麦的D基因组此段序列与方穗山羊草(*Ae. squarrosa* L.)也完全相同; 普通小麦的B基因组此段序列和栽培二粒小麦B基因组此段序列有0.61%的差异。研究结果一方面对现有的普通小麦A、B、D基因组起源和进化理论给予了分子水平上的证明, 同时也揭示了同一物种不同的基因组进化速度存在差异。

关键词 [小麦](#) [基因组](#) [STS](#) [序列分析](#) [起源和进化](#)

分类号

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(294KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“小麦”的 相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [余波澜](#)
- [黄朝峰](#)
- [周文娟](#)
- [张文俊](#)

Abstract

Key words

DOI:

通讯作者