

【作者】	陈婵娟, 窦红霞, 许志强, 丁淑燕, 潘建林, 葛家春, 黄亚红
【单位】	南京大学生命科学学院, 江苏南京
【卷号】	37
【发表年份】	2009
【发表刊期】	35
【发表页码】	17386-17389
【关键字】	三角帆蚌; 遗传多样性; ISSR
【摘要】	<p>[目的] 利用ISSR技术分析江苏地区5个三角帆蚌种群的遗传多样性和亲缘关系。[方法] 用10条ISSR引物对5个三角帆蚌种群基因组DNA进行扩增, 选取其中5条扩增条带多、信号强、背景清晰的引物对5个群体(无锡太湖、洪泽湖、南京江浦、兴化1、兴化2)共121个个体进行扩增分析。</p> <p>[结果] 通过ISSR扩增共获得70个DNA片段, 大小在200~2 000 bp, 其中61个位点表现多态性, 多态位点比例为87.14%。5个种群的基因多样性指数在0.259 9~0.314 4, 平均值为0.290 1, Shannon信息指数在0.392 2~0.466 3。南京江浦养殖种群的2种遗传多样性指数最高分别为0.314 4和0.466 3, 而无锡太湖野生种群的最低为0.259 9和0.392 2。[结论] 三角帆蚌养殖种群的遗传多样性高于野生种群; 5个三角帆蚌种群间的亲缘关系与地理位置无显著相关性。</p>
【附件】	 PDF下载 PDF阅读器下载

关闭