

【作者】	毛云玲, 陈少瑜, 韩燕, 吴涛, 司马永康, 郝佳波, 付玉媛
【单位】	云南省林业科学院, 云南昆明
【卷号】	37
【发表年份】	2009
【发表刊期】	31
【发表页码】	15163-15166
【关键字】	珍稀濒危植物; 大果木莲; 基因组DNA; ISSR PCR反应体系
【摘要】	<p>[目的] 建立高效稳定的大果木莲ISSR PCR 反应体系。[方法] 以珍稀濒危植物大果木莲新鲜嫩叶为材料, 在高盐沉淀法提取高质量基因组DNA的基础上, 通过ISSR PCR反应体系中5个主要因素的单因子梯度试验, 优化并最终建立了大果木莲稳定而高效的ISSR PCR反应体系和反应程序。[结果] 试验建立的大果木莲的ISSR PCR反应体系为: 20.0 μl 反应体系中含10\timesbuffer 2.0 μl、Mg²⁺ 2.0 mmol/L、Taq 酶0.5 U、DNA模板40 ng、引物0.8 μmol/L、dNTPs 0.2 mmol/L和ddH₂O 13.3 μl, 其反应程序为: 94 $^{\circ}$C 预变性5 min; 94 $^{\circ}$C变性1 min, 50~60 $^{\circ}$C退火45 s, 72 $^{\circ}$C延伸2 min, 40个循环; 72 $^{\circ}$C完全延伸7 min。</p> <p>[结论] 该研究为进一步揭示大果木莲群体的遗传多样性和遗传结构状况以及制定科学的保护措施提供了理论依据。</p>
【附件】	 PDF下载 PDF阅读器下载

关闭