

利用PCR-SSCP对人MINK 基因的研究 The Study of hMINKGene by PCR-SSCP Analysis

杨平¹, Martin Armstrong², 戴德哉¹, Walter Luyten² YANG Ping¹, Martin Armstrong², DAI De-zai¹, Walter Luyten²

1.戴德哉中国药科大学药理研究室,江苏南京 210009 2.Martin Armstrong Walter Luyten 杨森研究基金会 B-2304 Beerse 比利时 1.Research Division of Pharmacology,China Pharmaceutical University, Nanjing 210009,China; 2.Janssen Research Foundation,B-2304 Beerse,Belgium

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 人类MINK基因的两种突变导致长QT综合征(LQTS)。我们设计了两对引物利用PCR-SSCP结合直接测序法在病人及健康者中对MINK基因进行分析,结果发现第149位密码子产生A→G转换。在所研究的对象中,此变化在病人及正常对照者中均有存在。提示MINK基因的此突变性质为非病理性的多态突变。

Abstract:Two novel mutations that have been described in human MINKgene are corresponding for Long QT Syndrome (LQTS). Two pairs of primers were designed to screen hMINKgene both in patients and in normal controls, We performed screening by PCR-SSCP analysis combining with direct sequencing. It showed a single A→G transition at position 149. This change was found in both patients and healthy subjects.

关键词 [人MINK基因](#) [聚合酶链反应-单链构象多态性分析](#) [长QT综合征](#) **Key words** [Human MINKgene](#) [PCR-SSCP](#) [Long QT syndrome\(LQTS\)J178](#)

分类号

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(1032KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)

- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“人MINK基因”的相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [杨平](#)
- [Martin Armstrong](#)
- [戴德哉](#)
- [Walter LuytenYANG Ping](#)
- [Martin Armstrong](#)
- [DAI De-zai](#)
- [Walter Luyten](#)

Abstract

Key words

DOI:

通讯作者