

用荧光标记MVR-PCR方法研究中国汉族人群DYF155S1基因座多态性

庾蕾, 伍新尧, 黄艳梅, 蔡贵庆, 许传超

中山大学中山医学院法医系; 广州 510089

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 建立简便、实用的DYF155S1基因座基因分型的银染和荧光标记半自动分析方法, 对中国汉族155个无关男性个体血样本DNA进行分型, 两种方法分型结果一致。155人共检出66种等位基因, 有38个等位基因仅出现1次。根据图谱中第一条DNA片段及DNA条带数从小至大命名, 频率最高的为18和22号等位基因, 其第一条DNA片段大小为180bp, DNA条带数为连续的16和17个, 频率均为0.065。这一位点的基因多样性(h)为0.9789。155人中有25人表现为连续DNA谱带中有1个或2个DNA条带的丢失(null repeat), 序列分析证明丢失的DNA条带位置对应于3型核心序列。结果表明本文建立的分析方法能很好地揭示DYF155S1位点5'端多态性, 是目前仅作1次PCR能获得个体Y染色体多态信息较高的技术。用本方法建立的中国汉族人群DYF155S1基因座等位基因频率资料, 为群体遗传学研究及法医学应用提供了基础资料。

关键词 [MVR-PCR](#) [MSY1 \(DYFS155S1\)](#) [多态性](#)

分类号

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(294KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ 本刊中 包含“[MVR-PCR](#)”的 [相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [庾蕾](#)
- [伍新尧](#)
- [黄艳梅](#)
- [蔡贵庆](#)
- [许传超](#)

Abstract

Key words

DOI:

通讯作者