

# SRY基因在人猿超科和旧大陆猴中具有不同的进化规律

王晓霞, 吕雪梅, 张亚平

昆明动物研究所细胞与分子进化开放研究实验室;昆明 650223

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

**摘要** 通过PCR扩增、测序,得到了白臀叶猴和红面猴的SRY基因全序列。结合现有的灵长类其他物种序列进行分析,验证了HMG盒的保守性。通过构建系统发育树,比较旧大陆猴和人猿超科两个类群内和类群间HMG盒侧翼序列Ka/Ks的比率。有趣的是,人猿超科两物种比较呈现较高的Ka/Ks比值,但在旧大陆猴中及旧大陆猴与猿猴间的Ka/Ks比值显著低于人猿超科的,呈现很不同的格局。同时,对于HMG盒序列,Ka/Ks比值在人猿超科中也有明显的上升趋势。结果表明,人猿超科中异义替换率高于同义替换率的现象(正选择)不是灵长类中近缘物种间的现象,也不是灵长类中的系统偏差,而可能与基因的功能变化有关。同时,正选择作用于SRY基因可能始于人猿超科分化的初期。

**关键词** [SRY基因](#) [进化](#) [正选择](#) [人猿超科](#) [旧大陆猴](#)

分类号

**Abstract**

**Key words**

DOI:

通讯作者

## 扩展功能

### 本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(358KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

### 服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

### 相关信息

- ▶ [本刊中 包含“SRY基因”的相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [王晓霞](#)
- [吕雪梅](#)
- [张亚平](#)