

## 扩展功能

### 本文信息

► [Supporting info](#)

► [PDF\(0KB\)](#)

► [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

► [参考文献](#)

### 服务与反馈

► [把本文推荐给朋友](#)

► [加入我的书架](#)

► [加入引用管理器](#)

► [复制索引](#)

► [Email Alert](#)

► [文章反馈](#)

► [浏览反馈信息](#)

### 相关信息

► [本刊中包含“人群”的相关文章](#)

### ► 本文作者相关文章

- [尹立红](#)
- [浦跃朴](#)
- [林嫔嫔YIN Li-hong](#)
- [PU Yao-pu](#)
- [LIN Pin-pin](#)

## 南京市正常人群NQO1、CYP1A1、mEH基因的多态性研究

### Polymorphisms of NQO1, CYP 1A1, mEH Genes?in Normal Nanjing Population

尹立红<sup>1</sup>, 浦跃朴<sup>1</sup>, 林嫔嫔<sup>2</sup> YIN Li-hong<sup>1</sup>, PU Yao-pu<sup>1</sup>, LIN Pin-pin<sup>2</sup>

1.东南大学公共卫生学院, 江苏南京 210009 2.台湾省中山医学院毒理研究所 1.School of Public Health, Southeast University, Nanjing 210009, China; 2.Toxicological Research Institute, Zhongshan Medical College, Taiwan,China

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

**摘要** 应用PCR技术, 对南京市正常人群中NQO1、CYP1A1、mEH-外显子3、mEH-外显子4基因型多态性进行了研究。88例样本中, 相关基因野生型纯合子(wt/wt)、杂合子(wt/vt)、突变型纯合子(vt/vt)三种基因型的频率分布及基因频率分别是: NQO1 29.5% (0.304), 51.1% (0.495)和19.3% (0.202); CYP1A1 35.2% (0.329)、44.3% (0.489)和20.5% (0.181); mEH-外显子3为26.1% (0.297), 56.8% (0.496), 17.0% (0.207); mEH-外显子4为83.0% (0.826), 15.9% (0.165), 1.1% (0.008)。以上结果与国外的有关报道存在一定差异, 在不同地区中国人群的频率分布特征基本一致, 种族差异可能是造成有关基因型分布差异的重要原因。

**Abstract:** The polymorphisms of NQO1, CYP1A1, mEH-Exon3 ,and mEH-Exon4 genes in normal Nanjing population (88 cases) were investigated by PCR approach. The results showed that the population frequency distributions of genotypes of wild-type, heterozygote, homozygous variant were respectively: NQO1? 29.5%, 51.1%, 19.3%; CYP 1A1 35.2%, 44.3%, 20.5%; mEH-exon3 26.1 %, 56.8%, 17.0%; mEH-exon4 83.0%, 15.9%, 1.1%. The frequency distributions o f genotypes in Nanjing population differ from those of other countries and do no t show marked differences compared with other different area in Chinese populati on. The ethnic difference might be an important reason which results in the diff erences of related genotypes.

**关键词** 人群 [NQO1基因](#)、[CYP1A1基因](#)、[mEH基因](#) 多态性 **Keywords** population [NQO1 gene](#) [CYP1A1 gene](#) [mEH-exon3 gene](#) [mEH-exon4 gene](#) polymorphism

分类号

### Abstract

### Key words

DOI:

通讯作者