

云南18个民族Y染色体双等位基因单倍型频率的主成分分析

董永利¹, 杨智丽¹, 石宏², 高路¹, 鲁靖¹, 程宝文¹, 李开源¹, 咎瑞光¹, 肖春杰¹,

①

1. 云南大学人类遗传学研究中心; 昆明650091; 2. 中国科学院昆明动物研究所细胞与分子进化重点实验室比较基因组学组; 昆明 650223

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 世居云南的少数民族中, 壮、傣、水、布依、布朗、德昂、佤、彝、白、怒、哈尼、傈僳、拉祜、纳西、景颇、阿昌、基诺和独龙18个民族是由“羌”、“濮”、“越”3大部落群体演化而来, 是云南的土著居民。利用PCR-RFLP方法对这18个土著民族进行Y染色体上13个双等位基因位点进行基因分型。结果显示, 不同历史族源的民族群体在Y染色体双等位基因单倍型分布上具有一定的差异: 在百越后裔民族群体中以单倍型H11、H12为主要分布; 在氐羌后裔民族中以单倍型H5、H6和H8为主要分布; 在百濮后裔民族群体中主要单倍型分布为H6、H8和H11。进一步主成分分析表明, 百越后裔民族群体和氐羌后裔民族在主成分图上聚为两组, 提示父系基因库有不同的来源, 和历史记载相印证。

关键词 [Y染色体双等位基因](#) [单倍型](#) [云南](#) [民族](#)

分类号

1. Human Genetics Center of Yunnan University; Kunming 650091; China; 2. Comparative Genomics Group of Key Laboratory of Cellular and Molecular Evolution; Kunming Institute of Zoology; Chinese Academy of Sciences; Kunming 650223; China)

Abstract

Key words [Y chromosome biallelic gene](#) [haplotype](#) [Yunnan](#) [nationality](#)

DOI:

通讯作者

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(218KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含](#)
- ▶ [“Y染色体双等位基因”的 相关文章](#)
- ▶ [本文作者相关文章](#)

- [董永利](#)
- [杨智丽](#)
- [石宏](#)
- [高路](#)
- [鲁靖](#)
- [程宝文](#)
- [李开源](#)
- [咎瑞光](#)
- [肖春杰](#)
-