

用PCR-SSO方法研究云南西部彝族HLA-DQB1基因的多态性

陈为民1, 黄洪莲1, 刘泽寰1, 陶洪2, 潘德京1, 林蒋海1, 徐安龙1

1. 中山大学生命科学学院; 广州 510275; 2. 云南省卫生防疫站; 昆明 650000

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 应用PCR-SSO基因分型技术, 对我国云南西部地区3代内无血缘关系的76个彝族健康个体进行了HLA-DQB1位点的基因分型。结果显示, 在DQB1的38个等位基因中, 观察到13个等位基因。云南西部彝族表现为DQB1*0301 (36.18%~36.84%) 最常见。其他频率大于5%的等位基因还有DQB1*0502 (10.53%~11.18%)、DQB1*0401 (9.21%)、DQB1*0302 (8.55%~9.21%)、DQB1*0601 (7.89%)、DQB1*05031 (6.58%)、DQB1*03032 (5.92%~6.58%)。和其他13个华人群体DQB1等位基因的频率比较分析表明, 总体上, 云南西部彝族和其他各华人群体间都存在很大的差异。显示其HLA等位基因频率分布的民族独特性。

关键词 [彝族](#) [PCR-SSO](#) [HLA-DQB1](#)

分类号

Abstract

Key words

DOI:

通讯作者

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(292KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“彝族”的 相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [陈为民](#)
- [黄洪莲](#)
- [刘泽寰](#)
- [陶洪](#)
- [潘德京](#)
- [林蒋海](#)
- [徐安龙](#)