

土家族源流的遗传学初探

谢选华, 李 辉, 毛显赞, 文 波, 高 嵩, 金建中, 卢大儒, 金 力^①

复旦大学生命科学学院现代人类学研究中心; 上海 200433

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 通过分析湖北恩施、湖南吉首地区土家族2个人群样本, 利用14个Y染色体非重组区(NRY)单倍群分型技术对土家族的遗传结构进行了研究。分型结果结合其他地区土家族2个人群和相关民族群体进行主成分分析, 并将分析结果根据不同人群的地理分布展示在地图上。然后对各主成分和单倍群进行偏相关分析来探讨它们之间的相关性。结果显示土家族主体与汉族在父系结构上比较接近, 但依然有一定的区别。同时还发现龙山地区唯一保留土家语的土家族与氏羌族群有很明显的相关性, 这说明土家族最早的起源可能正是氏羌民族。实验结果表明, 恩施和吉首地区的大部分土家族与周边民族群体间的血缘交流频繁; 而龙山和永顺的土家族更能代表土家先民的遗传结构, 他们与西部氏羌族群密切相关。

关键词 [土家族](#) [Y染色体单倍群](#) [巴人](#) [人群起源](#) [主成分分析](#)

分类号

Center for Anthropological Studies; School of Life Sciences; Fudan University; Shanghai 200433; China

Abstract

Key words [Tujia](#) [Ancient Ba people](#) [Y chromosome haplogroups](#) [ethnic origin](#) [principle component analysis](#)

DOI:

通讯作者

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(242KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“土家族”的相关文章](#)
- ▶ [本文作者相关文章](#)

- [谢选华](#)
- [李 辉](#)
- [毛显赞](#)
- [文 波](#)
- [高 嵩](#)
- [金建中](#)
- [卢大儒](#)
- [金 力](#)