

研究报告

扩展功能

本文信息

► [Supporting info](#)

► [PDF\(0KB\)](#)

► [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

► [参考文献](#)

服务与反馈

► [把本文推荐给朋友](#)

► [加入我的书架](#)

► [加入引用管理器](#)

► [复制索引](#)

► [Email Alert](#)

► [文章反馈](#)

► [浏览反馈信息](#)

相关信息

► [本刊中包含“短串联重复序列”的相关文章](#)

► 本文作者相关文章

· [李宁](#)

· [苏玉虹](#)

· [席焕久](#)

· [任甫](#)

· [朱宝芹](#)

· [温有峰](#)

## 拉萨市藏族人群15个STR基因座多态性的研究

李宁<sup>1</sup>, 苏玉虹<sup>2</sup>, 席焕久<sup>3</sup>, 任甫<sup>3</sup>, 朱宝芹<sup>2</sup>, 温有峰<sup>3</sup>

1. 辽宁省锦州医学院基础学院生物化学教研室, 锦州 121001; 2. 辽宁省锦州医学院辽宁省分子细胞生物学与新药开发重点实验室,

锦州 121001; 3. 辽宁省锦州医学院人类学研究所, 锦州 121001

收稿日期 2005-11-22 修回日期 2006-1-9 网络版发布日期 2006-11-14 接受日期

### 摘要

利用多重PCR和五色荧光(6FAM、VIC、NED、PET、LIZ)自动化检测技术调查西藏自治区拉萨市藏族人群D8S1179、D21S11、D7S820、CSF1PO、D3S1358、TH01、D13S317、D16S539、D2S1338、D19S433、VWA、TPOX、D18S51、D5S818、FGA共15个STR基因座多态性分布, 获得了15个STR基因座的遗传学数据。结果显示: 15个STR基因座的基因型分布符合Hardy-Weinberg平衡。15个STR基因座的个体鉴别力(*DP*)在0.7515~0.9599之间, 杂合度(*H*)在0.5576~0.8538之间, 多态信息含量(*PIC*)在0.5455~0.8458之间, 非父排除率(*EPP*)在0.3755~0.8520之间, 累积个体鉴别力为0.99999999, 累积非父排除率为0.999999997。15个STR基因座适合作为藏族人群的遗传标志用于人类学、遗传疾病连锁分析、法医学亲子鉴定和个体识别等研究领域。

关键词 [短串联重复序列](#) [多态性](#) [藏族](#) [聚合酶链式反应](#)

分类号 [Q347](#)

## Genetic Polymorphism of 15 STR Loci in a Lhasa Tibetan Population

LI Ning<sup>1</sup>, SU Yu-Hong<sup>2</sup>, XI Huan-Jiu<sup>3</sup>, REN Fu<sup>3</sup>, ZHU Bao-Qin<sup>2</sup>, WEN You-Feng<sup>3</sup>

1. College of Basic Science, Jinzhou Medical College, Liaoning Province, Jinzhou 121001, China; 2. Key Laboratory of Molecular

Cell Biology and New Drug Development of Liaoning Province, Jinzhou Medical College, Liaoning Province, Jinzhou 121001, China;

3. Anthropology Laboratory, Jinzhou Medical College, Liaoning Province, Jinzhou 121001, China

### Abstract

<P>The polymorphism distributions of 15 STR loci (D8S1179, D21S11, D7S820, CSF1PO, D3S1358, TH01, D13S317, D16S539, D2S1338, D19S433, VWA, TPOX, D18S51, D5S818 and FGA) were investigated in a Lhasa Tibetan population by multiplex PCR amplification using five fluorochromes (6FAM, VIC, NED, PET, LIZ). Gene frequency, discrimination power (<EM>DP</EM>), heterozygosity (<EM>H</EM>), polymorphism information content (<EM>PIC</EM>) and probability of paternity exclusion (<EM>EPP</EM>) were calculated, and all loci were tested for Hardy-Weinberg equilibrium. Results indicate that the gene frequency of these 15 STR loci is in Hardy-Weinberg equilibrium. The <EM>DP</EM> is at 0.7515–0.9599, <EM>H</EM> is at 0.5576–0.8538, <EM>PIC</EM> is at 0.5455–0.8458, and <EM>EPP</EM> is at 0.3755–0.8520. Cumulative <EM>DP</EM> of the 15 STR is 0.99999999, and cumulative EPP is 0.999999997. Therefore, these 15 STR loci can be used as genetic markers of in Lhasa Tibetan populations in anthropological studies, linkage analysis of genetic diseases, individual identification and paternity testing in forensic medicine.</P>

Key words [short tandem repeat \(STR\)](#) [polymorphism](#) [tibetan](#) [polymerase chain reaction \(PCR\)](#)

