

[收藏本站](#)[设为首页](#)[English](#) [联系我们](#) [网站地图](#) [邮箱](#) [旧版回顾](#)

面向世界科技前沿，面向国家重大需求，面向国民经济主战场，率先实现科学技术跨越发展，率先建成国家创新人才高地，率先建成国家高水平科技智库，率先建设国际一流科研机构。



中国科学院办院方针

[首页](#) [组织机构](#) [科学研究](#) [人才教育](#) [学部与院士](#) [资源条件](#) [科学普及](#) [党建与创新文化](#) [信息公开](#) [专题](#)[搜索](#)

首页 &gt; 科研进展

## 微生物所揭示D型流感病毒入侵机制

文章来源：微生物研究所    发布时间：2016-02-02 【字号：[小](#) [中](#) [大](#)】[我要分享](#)

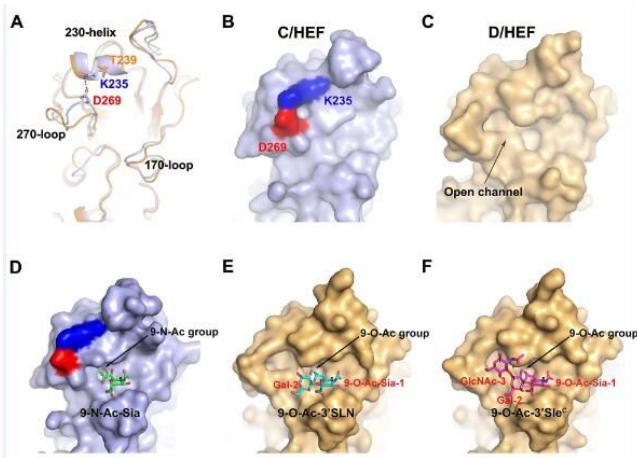
流感病毒是重要的病原体之一，不仅严重威胁人类健康，而且给畜牧业生产造成重大损失。之前流感病毒一直分为A、B和C三个类型，从2011年起科学家陆续在猪和牛体内分离到新的流感病毒，由此新病毒与A、B、C型流感病毒差异很大，被定义为新的D型流感病毒。新发现的D型流感病毒与C型流感病毒最为相似，但不能与C型流感病毒发生重组。目前已在北美、欧洲、中国等多个国家和地区检测到此新型流感病毒，牛被认为主要是主要宿主。D型流感病毒比C型流感病毒存在更广泛的细胞嗜性，能够感染牛、猪、雪貂和豚鼠并通过接触传播感染其它动物，有报道称在小反刍动物如绵羊和山羊体内等也存在针对D型流感病毒的特异性抗体。

因此，D型流感病毒的入侵分子机制成为世界科学家所关注的焦点，中国科学院微生物研究所高福研究团队在该研究中取得新进展，相关研究成果已于1月27日在线发表在病毒学杂志*PLoS Pathogens* 上。

研究人员利用结构生物学手段及功能实验研究了D型流感病毒表面唯一的糖蛋白HEF，通过糖点阵芯片实验证明了D型流感病毒能结合9-O乙酰唾液酸受体及其多种衍生物。随后，研究员解析了D型流感病毒HEF蛋白及其与不同受体类似物的复合物结构，他们发现D型流感病毒HEF的受体结合位点的230-helix和270-loop存在一个开放的通道，而在C型流感病毒HEF相同的位置，230-helix的K235和270-loop的D269形成盐桥相互作用，将270-loop拉高与230-helix相连，关闭了通道（图1）。D型流感病毒HEF蛋白受体结合位点的开放通道使得D型流感病毒能够容纳不同的糖环构象，从而结合9-O乙酰唾液酸受体及其不同衍生物，为其广泛的细胞嗜性提供了结构基础。组织免疫荧光实验表明D型流感病毒HEF能结合人、猪和牛的气管纤毛上皮细胞。考虑到D型流感病毒不仅能够导致牛和猪发病，而且能够在雪貂和豚鼠中传播，必须警惕和防范其对公共安全的威胁。

微生物所高福课题组的博士宋豪为文章的第一作者，高福为通讯作者。研究得到国家科技部“973”项目、自然科学基金委项目和中科院项目等资助。

### 论文链接



微生物所揭示D型流感病毒入侵机制

(责任编辑：叶瑞优)

