



日探明麻疹病毒感染细胞结合部立体结构

文章来源：新华社

发布时间：2011-01-12

【字号：小 中 大】

日本研究人员在10日的《自然·结构和分子生物学》网络版上发表论文说，他们从原子层面探明麻疹病毒入侵细胞时起重要作用的蛋白质及其受体结合部位的立体结构，这项成果有望帮助人们开发抗麻疹病毒新药。

麻疹病毒表面的“H-蛋白质”在病毒感染细胞时发挥着重要作用，这种蛋白质和人体细胞表面的受体“SLAM”蛋白质相结合，相当于钥匙插入锁孔。这一结合开启了麻疹病毒入侵细胞的进程。

日本九州大学教授柳雄介的研究小组大量合成上述两种蛋白质结合形成的复合体，并使之结晶化。随后，他们通过X射线分析这种结晶，从原子层面探明了其立体结构。研究人员表示，如果能找到具备“堵锁孔”能力的化合物，防止“钥匙插入锁孔”，就有望开发出新的抗麻疹病毒药物。

打印本页

关闭本页