



[首页](#)
[概况简介](#)
[机构设置](#)
[人才队伍](#)
[研究生/博士后](#)
[院地合作](#)
[国际交流](#)
[科研平台](#)
[学术出版物](#)
[党建](#)
[文化](#)
[科学传播](#)
[信息公开](#)

### 新闻中心

- 近期要闻
- 头条新闻
- 科研进展

您现在的位置: 首页 > 新闻中心 > 科研进展

## 微生物所孟颂东课题组在竞争性病毒RNA研究中再获进展

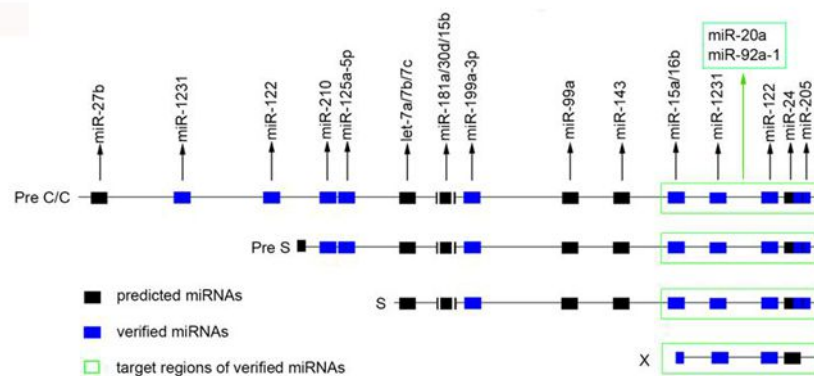
2016-10-09 | 作者: | 【大】 【中】 【小】 【打印】 【关闭】

众所周知, 病毒RNA (或mRNA) 的主要功能是作为模板翻译病毒蛋白, 然而中国科学院微生物所孟颂东课题组近几年发现病毒RNA的新功能, 即作为竞争性病毒RNA (competitive virus RNA, cvRNA) 直接参与调节病毒复制、感染和病理, cvRNA是该课题组提出的病毒与宿主相互作用的新模式。

该课题组最近研究发现乙肝病毒的3个RNA (包括pgRNA, Pre-S和S mRNA) 均含有宿主miRNA (微小RNA) let-7a的结合位点, 可吸附和降解肝细胞中let-7a, 进而引起let-7a的靶基因c-myc, K-RAS和CCR7等肿瘤基因表达的上调, 从而促进肝癌的发生和进展。这为进一步揭示慢性乙肝感染引发肝癌发生的机制和发现治疗肝癌的新靶点提供了线索。

上述研究成果已经在线发表在Cancer letters杂志 (383(1):62-72, 2016), 邓蒙蒙是第一作者, 孟颂东和李长非是通讯作者。这是该课题组在竞争性病毒RNA方面发表的第一篇论文, 他们前期研究已经发现乙肝病毒RNA作为竞争性病毒RNA参与促进病毒复制、增强病毒适应肝细胞环境和诱导肝细胞癌发生, 研究成果分别发表在Journal of Virology (2013)和Scientific Reports (2015)杂志。

文章链接: [http://www.cancerletters.info/article/S0304-3835\(16\)30570-5/fulltext](http://www.cancerletters.info/article/S0304-3835(16)30570-5/fulltext)



乙肝病毒pgRNA(Pre C/C)和Pre S、S、X mRNA与肝细胞中miRNA的结合位点



1996-2014 中国科学院微生物研究所 版权所有 备案序号: 京ICP备05064432号 文保网安备案号: 110402500054

地址: 北京市朝阳区北辰西路1号院3号 邮编: 100101 电话: 86-10-64807462 传真: 86-10-64807468 Email: office@im.ac.cn