

作者: 孙自法 来源: 中新网 发布时间: 2024/1/25 13:08:38

选择字号: 小 中 大

研究发现一种细菌的最古老基因组 或助力揭示梅毒起源

中新网北京1月25日电 (记者 孙自法)国际著名学术期刊《自然》最新发表一篇基因组学论文称,研究人员在巴西出土的史前人类遗骸中发现了一种细菌的已知最古老基因组,这种细菌来自会导致梅毒这类密螺旋体病的细菌家族,相关研究结果或为这类疾病的起源提供新信息。

该论文介绍,梅毒螺旋体(*Treponema pallidum*)细菌的有近缘关系但不相同的亚种会导致不同类型的密螺旋体病,如性病梅毒和非性传播的非性病性梅毒(*bejel*)。这类疾病的起源一直存在争议:有观点认为15世纪末欧洲的梅毒流行病出现在哥伦布探险从美洲将这些细菌引入欧洲之后。之前关于这类疾病起源的理论都基于古代骨骼病理学研究,但一直缺少确认致病亚种的确凿证据。

论文共同通讯作者、瑞士苏黎世大学Verena J. Schuenemann和合作者一起,提取了约2000年前巴西埋葬遗址出土的4个个体的DNA,并重建了感染他们的梅毒螺旋体细菌的基因组。分析显示,致病病原体与导致非性病性梅毒的现代细菌种亲缘关系最近。

论文作者认为,这一研究发现支持了之前认为美洲文明在前哥伦布时期就出现了密螺旋体感染,并且密螺旋体疾病至少在哥伦布启航的至少500年前就已经出现在新大陆。他们也指出,该研究并未揭示性病梅毒(被认为是在后来才演化出来的)的起源,但有助于了解真正古代的密螺旋体疾病的发病率和特征。(完)

(原标题:国际最新研究发现一细菌最古老基因组 或助力揭示密螺旋体病起源)

特别声明: 本文转载仅仅是出于传播信息的需要,并不意味着代表本网站观点或证实其内容的真实性;如其他媒体、网站或个人从本网站转载使用,须保留本网站注明的“来源”,并自负版权等法律责任;作者如果不希望被转载或者联系转载稿费事宜,请与我们联系。

打印 发E-mail给:

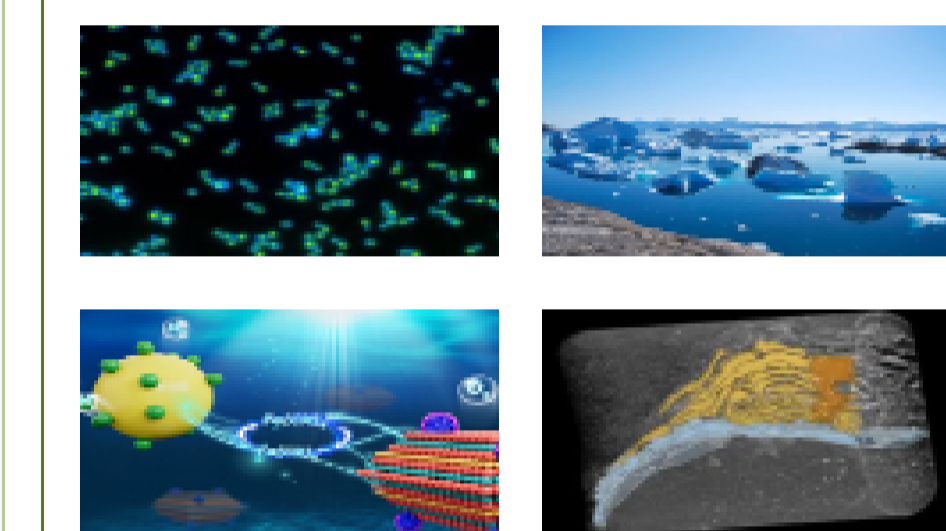


相关新闻

相关论文

- 1 《自然》发布2024年值得关注的七大技术
- 2 《自然》(20240118出版)一周论文导读
- 3 谷歌研究登《自然》: AI几何能力接近奥数金牌
- 4 人体表面器官细菌微生物群落“百科全书”完成
- 5 新技术在水溶液中精确掺杂有机半导体
- 6 《自然》(20240111出版)一周论文导读
- 7 分泌毒素的细菌分子“条形码”现形
- 8 新发现200多个抑郁症相关基因

图片新闻



>>更多

一周新闻排行

- 1 37岁独立发表论文, 41岁辞职开设实验室
- 2 国产期刊“抱团取暖”, 有方向还须有方法
- 3 科学家预测乌什强震诱发地质灾害的空间分布概率
- 4 《自然》发布2024年值得关注的七大技术
- 5 打造“领军人才”, 她说, 坚韧型人格培养是短板
- 6 2023年度湖北省科学技术奖拟奖项目公示
- 7 新型口服胰岛素可放入巧克力食用
- 8 基金委发布一项重大研究计划项目指南
- 9 直播回放 | 科学网年度十佳博文评选结果揭晓!
- 10 兰考县委副书记陈宣陶履新兰考三农职业学院院长

编辑部推荐博文

- 祝贺! 科学网2023年度十佳博文评选活动结果揭晓
- 佐治亚理工学院Woon-Hong Yeo等综述
- 康复医学领域优质国际期刊推荐!
- 墨梅存在吗?
- 参考文献管理软件: 轻松管理参考文献
- 感谢科学网, 祝福科学网

更多>>