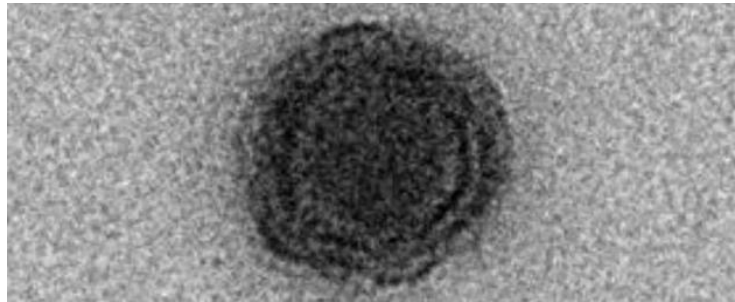




## 未知基因组的神秘“巨型病毒”揭示病毒世界变异性

发布时间: 2020-02-13 09:12:51 分享到:



该病毒被称为“Yaravirus”，是在巴西贝洛哈里桑塔城帕普哈人工湖中发现的，它是巴西神话传说中“水仙（Yara）”的名字命名的。它是一种具有未知基因组的神秘巨型病毒。

新浪科技讯 北京时间2月13日消息，据国外媒体报道，目前，科学家最新发现一种具有未知基因组的神秘巨型病毒。

该病毒被称为“Yaravirus”，是在巴西贝洛哈里桑塔城帕普哈人工湖中发现的，它是巴西神话传说中“水仙（Yara）”的名字命名的。尽管该病毒可能不是什么超自然警报，但它可能像神话中的“水仙（Yara）”一样神秘。

因为该病毒构成了变形虫的一个新谱系，其起源和种系发展令人感到费解，研究团队两个资深成员——法国马赛大学病毒学家伯纳德·拉斯科拉（Bernard La Scola）和巴西米纳斯吉拉斯联邦大学的Jônatas S. Abrahão对此展开深入研究。

2018年，这两位科学家发现了另一种新型水生病毒——Tupanvirus，它是一种生活在极端水栖环境的巨型病毒，与普通病毒不同，巨型病毒拥有巨大的衣壳（包裹病毒粒子的蛋白质外壳）。

体型较大的病毒是在本世纪才被发现的，它们不仅拥有引人注目的体型，还拥有更复杂的基因组，从而有能力合成蛋白质，进行DNA修复、复制和转录。

此前人们认为病毒是相对惰性、是非生命形式，只能感染它们的宿主，但现在看来，病毒比人们预想的更加复杂。近年来，科学家发现其他几种类型的病毒，它们同样挑战了我们对病毒如何传播和发挥作用的思考。

最新发现的Yaravirus并非体型超大、显而易见的病毒，但值得注意的是，它的基因组看似非常独特。研究人员称，大多数已知变形虫病毒被认为具有许多共同特征，这将促使研究人员将它们划分为普通的进化生物群。

与其他变形虫病毒不同的是，Yaravirus并不代表它是由巨大颗粒和复杂基因构成，而是同时携带大量之前未被科学描述的基因。在他们的调查过程中，研究人员发现Yaravirus病毒90%以上的基因之前未被描述过，相当于一种独立基因。

迄今超过8500多个公共可获得亚基因组的研究资料并未提供关于Yaravirus的重要线索。研究人员解释称，使用标准的方法，我们首次基因分析未发现Yaravirus具有任何可识别衣壳序列，或者其他常见的病毒基因。

依据当前病毒检测宏基因组方案，Yaravirus甚至不会被视为一种病毒性病原体，至于该病毒究竟是什么，科学家目前仅是推测，但他们认为这可能是一种未知变形虫病毒群的首个独立病例，或者可能是一种独特的巨型病毒，它可能以某种方式进化成一种简单结构。

研究人员指出，无论怎样，很明显自然界还有很多未解谜团需要探索发现，Yaravirus病毒颗粒的未知蛋白质数量反映了病毒世界中存在的变异性，以及还有多少新病毒基因组亟待发现。

来源：新浪科技

© 版权所有 中国实验动物学会 京ICP备14047746号 京公网安备11010502026480

地址: 北京市朝阳区潘家园南里5号 (100021) 电话: 010 - 67776816 传真: 010 - 67781534 E-mail: calas@cast.org.cn

技术支持: 山东瘦课网教育科技股份有限公司

| 站长统计

