

目次

野生和养殖大鲵群体遗传多样性的微卫星分析

孟彦¹, 杨焱清¹, 张燕², 肖汉兵^{1*}

1 (中国水产科学研究院淡水生态与健康养殖重点开放实验室, 湖北荆州 434000)

2 (农业部淡水生物多样性保护与利用重点开放实验室, 湖北荆州 434000)

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 中国大鲵是世界上最大的两栖动物并且为我国特有, 现在该物种野生种群急剧下降, 而人工养殖种群逐渐增多。为了对大鲵(*Andrias davidianus*)群体进行遗传多样性的本底调查, 本文用10对微卫星引物对28尾野生大鲵和16尾人工养殖的大鲵样本进行了遗传多样性分析。结果表明, 在10对引物中有7对检测到多态位点, 野生群体和养殖群体的观察等位基因数分别为5-8和4-6, 期望杂合度分别为0.81和0.75, 说明本实验中研究的大鲵的遗传多样性水平较高。通过人工养殖群体和野生群体的比较发现, 人工养殖群体存在较大的等位基因丢失现象, 并且遗传多样性水平低于野生群体。以上结果将为大鲵的人工繁育和遗传多样性的保护、利用提供一定的理论依据。

关键词 [Andrias davidianus](#) [微卫星标记](#) [等位基因](#) [多态信息含量](#)

分类号

DOI: 10.3724/SP.J.1003.2008.08105

通讯作者:

肖汉兵 xhb@yfi.ac.cn

作者个人主页: [孟彦¹](#); [杨焱清¹](#); [张燕²](#); [肖汉兵^{1*}](#)

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF \(275KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\] \(611KB\)](#)
- ▶ [参考文献\[PDF\]](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ 本刊中 包含 "[Andrias davidianus](#)" 的 [相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [孟彦](#)
- [杨焱清](#)
- [张燕](#)
- [肖汉兵](#)