

首页 学院概况 师资队伍 科学研究 党建工作 人事工作 行政管理 本科生教育 研究生教育 学工在线 科研平台 虚拟仿真教学

### 师资队伍

### 教授简介

>>更多

长江学者

杰出青年

教授、副教授、讲师

教授简介

副教授简介

讲师简介



### 站点链接

—相关链接—

## 陈卫华

时间：2018-11-21 浏览次数：440



## 陈卫华

**职称职务** 教授、博士生导师

**学科专业** 生物信息学、疾病基因组学、进化生物学

**联系方式** (电话) (传真)

**电子邮箱** weihuachen@hust.edu.cn

教 1996-2000年 河南师范大学生物科学学院，生物学学士

**育** 2000-2003年 东北师范大学生命科学院遗传与细胞研究所，遗传学硕士

**经** 2003-2006年 中国科学院北京基因组研究所，遗传学博士

**历**

2006-2007年 中国科学院北京基因组研究所，北京，研究助理

2007-2008年 杜塞尔多夫大学计算机系，德国，博士后

2008-2013年 欧洲分子生物学实验室，德国，博士后

2014-2016年 瑞士生物信息学研究所/日内瓦大学医学院，瑞士，博士后

2016年-至今 华中科技大学生命科学与技术学院，生物信息与系统生物学系，教授，博士生导师

**学**

**术**

**兼**

**职**

**研** 系统生物学和转化医学。主要包括：1) 通过家系分析和GWAS发现新的与肿瘤及自身免疫病致病相关的遗传因素；2) 用机器学习方法整合/发现基因突变或表达signature，以建立可用于疾病风险预测和诊断的数学模型；3) 通过整合公共数据库中的疾病组学数据发现致病新机制；4) 开发可用于肿瘤/自身免疫病研究、药物研发的生物信息学方法/工具。此外，本人还将开展以energy efficiency为核心的进化生物学研究（详见本人Nature Communications 2016文章，PMID：27098217）。

#### **近年的科研项目、专著与论文、专利、获奖**

截止2016年9月，近5年以第一作者/通讯作者发表文章8篇，其中包括Science、Molecular Systems Biology、Nature Communications、Molecular Biology and Evolution、Nucleic Acids Research等著名杂志。H-index为18，i10-index为25（即有25篇文章被引10次以上）。曾任美国人类长寿公司顾问（2015年），北京基因组学研究所客座研究（2015年）员。

#### **近五年代表性论文**

1.Chen, W.H., et al., Energy efficiency trade-offs drive nucleotide usage in transcribed regions. Nat Commun, 2016. 7: p. 11334.

（共同通讯作者）

2.He, Z., et al., Evolview v2: an online visualization and management tool for customized and annotated phylogenetic trees. Nucleic Acids Res, 2016. (共同通讯作者)

3.Chen, W.H., van Noort, V., Lluch-Senar, M., Hennrich, M.L., JA, H.W., Yus, E., Alibes, A., Roma, G., Mende, D.R., Pesavento, C. et al. (2016) Integration of multi-omics data of a genome-reduced bacterium: Prevalence of post-transcriptional regulation and its correlation with protein abundances. Nucleic Acids Res, 44, 1192-1202.

4.Lluch-Senar, M., Delgado, J., Chen, W.H., Llorens-Rico, V., O'Reilly, F.J., Wodke, J.A., Unal, E.B., Yus, E., Martinez, S., Nichols, R. J. et al. (2015) Defining a minimal cell: essentiality of small ORFs and ncRNAs in a genome-reduced bacterium. Molecular systems biology, 11, 780. （共同第一作者）

5.Chen, W.-H., et al., Human Monogenic Disease Genes Have Frequently Functionally Redundant Paralogs. PLoS Comput Biol, 2013, 9(5): p. e1003073.

6.Schonknecht, G., Chen, W.H., Ternes, C.M., Barbier, G.G., Shrestha, R.P., Stanke, M., Brautigam, A., Baker, B.J., Banfield, J.F., Garavito, R.M. et al. (2013) Gene transfer from bacteria and archaea facilitated evolution of an extremophilic eukaryote. Science, 339, 1207-1210. (共同第一作者)

7.Chen, W.H., Minguez, P., Lercher, M.J. and Bork, P. (2012) OGEE: an online gene essentiality database. Nucleic Acids Research, 40, D901-906.

8. Chen, W.-H., Trachana, K., Lercher, M.J. and Bork, P. (2012) Younger Genes Are Less Likely to Be Essential than Older Genes, and Duplicates Are Less Likely to Be Essential than Singletons of the Same Age. Molecular Biology and Evolution, 29, 1703-1706..

更多信息请见实验室网站：<http://chenlab.medgenius.info/>

上一篇：谢尚县

下一篇：刘钢

地址:中国湖北武汉珞喻路1037号 邮编:430074

华中科技大学生命与科学技术学院 版权所有